



### (1) BUNDESREPUBLIK **DEUTSCHLAND**



**DEUTSCHES** PATENT- UND **MARKENAMT** 

# **® Offenlegungsschrift** ® DE 100 41 541 A 1

② Aktenzeichen: 2 Anmeldetag:

24. 8. 2000 Offenlegungstag: 14. 3. 2002

(a) Int. Ci.7: C 07 K 16/00

> C 07 K 14/435 A 61 K 38/17 C 07 H 21/00 C 12 N 15/63 C 12 N 15/13

(7) Anmelder: Duchene, Michael, Dr., Wien, AT

(4) Vertreter: Weickmann & Weickmann, 81679 München ② Erfinder:

100 41 541.5

Duchêne, Michael, Dr., Wien, AT; Binder, Marina, Wien, AT; Mahler, Vera, 91054 Erlangen, DE; Hayek, Brigitte, Wien, AT; Prozell, Sabine, 10407 Berlin, DE; Schöller, Matthias, 10247 Berlin, DE

# Die folgenden Angaben sind den vom Anmelder eingereichten Unterlagen entnommen

Rekombinante Allergene aus der Motte Plodia interpunctella

Die Erfindung betrifft rekombinante Allergene p40 (Argininkinase), p33 (Tropomyosin), p84 (Arylphorin) und p27 (eine Oxidoreduktase) aus der Dörrobstmotte Plodia interpunctella, deren Fragmente und abgeleitete rekom-binante DNA-Moleküle, Vektoren und Wirtszellen, die diese rekombinanten DNA-Moleküle enthalten, sowie diagnostische und therapeutische Anwendungen der beschriebenen Allergene und Fragmente.

#### Beschreibung

[0001] Die vorgestellte Erfindung befaßt sich insbesondere mit dem Problem der allergischen Reaktion auf Invertebratenproteine am Beispiel der Allergie gegen Proteine aus der Dörrobstmotte Plodia interpunctella. Sie beschreibt rekombinante Moleküle, die von vier Allergenen dieser Spezies abgeleitet sind und ihre Anwendung für Diagnose und Therapie von Allergien und die Detektion von Allergenen in der Umwelt des Menschen.

#### Hintergrund der Erfindung

[0002] Bis zu 20% der Bevölkerung der Industriestaaten leiden unter Typ I allergischen Symptomen (Rhinitis, Konjunktivitis, bronchialem Asthma) (Myamoto et al., 1992). Bei der Typ I Allergie bindet das Allergen an IgE-Antikörper auf der Oberfläche von Mastzellen. Das IgE ist an die hochaffinen Fc eRI-Rezeptoren gebunden, die durch die zusätzliche Bindung der Allergene quervernetzt werden und damit der Mastzelle signalisieren, biologische Mediatoren wie zum Beispiel Histamin freizusetzen (Segal et al., 1977). In den vergangenen Jahren ist gezeigt worden, daß Allergene meist wasserlösliche Proteine sind, die in vielen Fällen in rekombinanter Form erzeugt werden können (Kraft et al., 1999). Noch vor wenigen Jahren wurde ausschließlich speziesspezifische Allegiediagnostik betrieben, bei der Gesamtextrakte natürlicher Allergenquellen, z. B. von Pollen oder Tierhaarextrakte als Antigen eingesetzt wurden. Diese Extrakte sind biochemisch nicht genau definiert, manchmal fehlen wichtige allergene Komponenten. Deshalb wird in den vergangenen Jahren in zunehmender Weise eine komponentenspezifische Diagnose (CRD, "component resolved diagnosis") mit Hilfe von gut definierten, rekombinanten Allergenen eingeführt (Valenta et al., 1999).

[0003] Während die Allergene außerhalb des Hauses meist mit Pflanzenpollen assoziiert sind, kommen im Haus mehr Allergene aus Tieren vor, sowohl von Schädlingen als auch von Haustieren. Bei den Schädlingen steht als Allergenquelle die Hausstaubmilbe, ein Spinnentier (Thomas und Smith, 1999) an erster Stelle. Besonders in den USA ist die Küchenschabe, ein flügelloses Insekt, auch als Allergenquelle wichtig (Rosenstreich et al., 1997; von Wijnen et al., 1997). Von beiden sind eine Reibe rekombinanter Allergene bekannt (Arruda et al., 1995; Thomas und Smith, 1999). Eine zusätzliche Allergenquelle im Haus sind Schimmelpilze, von denen in den letzten Jahren ebenfalls mehrere allergene Komponenten charakterisiert und für die Diagnostik eingesetzt wurden (Unger et al., 1999).

[0004] Diese Erfindung befaßt sich mit einer bisber kaum untersuchten Allergenquelle im häuslichen Bereich, den Motten. Bei den Motten handelt es sich um Insekten, um echte Schmetterlinge (Lepidoptera). Die Hauptvertreter sind Plodia interpunctella, die Dörrobstmotte, im englischen Sprachgebrauch "Indian meal moth" und Tineola bisseliella, die Kleidermotte, "webbing clothes moth". Die vorliegende Erfindung bezieht sich auf P. interpunctella, allerdings sind die verschiedenen Mottenarten nah verwandt und deshalb ist zu erwarten, daß die Allergene der verschiedenen Mottenarten immunologisch kreuzreaktiv sind. Die Dörrobstmotte ist ein Nahrungsmittelparasit, sie wird hauptsächlich in der Küche gefunden und befällt trockene Nahrungsmittel wie Nüsse, Dörrobst, Schokolade, Hafer, Maismehl, Müesli. Es wird vermutet, daß die Dörrobstmotte aus Südamerika stammt. Sie ist der häufiste Nahrungsmittelschädling in den amerikanischen Haushalten und wurde deshalb im Mai 1999 vom Department of Environmental Health & Safety der Harvard Universität zum "Schädling des Monats" gewählt (http://www.uos.harvard.edu/ehs/hot\_topics/pom\_meal\_moth.html). Auch in den deutschen Haushalten ist die Dörrobstmotte häufig (zum Beispiel: Vorratsschädling Nr. 1: die Dörrobstmotte. Sendung im Westdeutschen Rundfunk am 9. Mai 1997, von Michael Wiegert-Wegener). Abgestorbene Motten trocknen aus und landen typischerweise über den Hausstaub im Staubsauger. Dieser stößt große Mengen von winzigen Staubpartikeln aus, die auch Proteine der eingesaugten Insekten und damit potentielle Allergene enthalten.

[0005] Bisher ist noch von keinem Allergen aus irgendeiner Mottenspezies die Struktur aufgeklärt worden. Außerdem gibt es noch keine Publikation in der gesamten medizinischen Literatur (Medline), die sich mit der Dörrobstmotte im Zusammenhang mit Allergie beschäftigt. Dennoch gibt es eine kleine Zahl von Publikationen, die sich mit Allergien gegen andere Motten beschäftigen. Die Studie von Baldo und Panzani (1988) charakterisiert Extrakte verschiedener Insektenspezies, darunter auch der Kleidermotte (Tineola bisselliella) mit IgB Immunoblots, enthält jedoch keine Primärstrukturen. Mehrere Publikationen berichten über allergische Reaktionen gegen Motten oder Seidenraupen bei beruflicher Exposition, zum Beispiel mit Seidenraupen (Komase et al. 1997, Suzuki et al., 1995, Wang et al., 1994), verschiedenen Schmetterlingen (Davis and Jenkins 1995), oder Mehlmotten (Storms et al., 1981).

50 [0006] Die vorliegende Erfindung stellt vier rekombinante Allergene aus der wichtigsten Nahrungsmittelmotte für verschiedene medizinisch-diagnostische, umweltanalytische und therapeutische Zwecke zur Verfügung.

[0007] Homologe der vier beschriebenen Allergene sind in verschiedenen Spezies in der Vergangenheit bereits untersucht worden, es handelt sich um Argininkinasen, Tropomyosine, Arylphorine und eine Pamilie von Oxidoreduktasen. Tropomyosine sind als Allergene gut beschrieben (Reese et al., 1999) und auch zum Arylphorin als Allergen bei Schaben (Periplaneta americana) gibt es eine Publikation (Wu et al., 1996). In der Literatur sind auch schon einige Redox-Enzyme als Allergen beschrieben, hauptsächlich bei Pilzen und Pflanzen. Das Protein, das zu der gefundenen Oxidoreduktase aus der Motte am nächsten verwandt ist, ist die bakterielle Glukose-1-Dehydrogenase (Nagao et al., 1992), welche selbst nicht als Allergen bekannt ist. Die Argininkinase ist bingegen noch nicht als Allergen identifiziert worden, auch wenn in einer Publikation über ein Allergen Par f 1 aus der Garnele Parapenaeus fissurus Peptidsequenzen veröffentlicht wurden, die Sequenzähnlichkeiten zu Argininkinasen anderer Spezies aufweisen (Lin et al., 1993). Diese Ähnlichkeiten wurden jedoch in der Veröffentlichung nicht beschrieben. Die Argininkinase ist ein Enzym, das in Muskeln von Invertebraten Argininphosphat als Energie-Reservestoff bildet (Wyss et al., 1995). Auch bei Insekten wurde die Argininkinase in ihrer Primärstruktur aufgeklärt (Kucharski und Maleszka, 1998), allerdings nie als Allergen beschrieben.

[0008] Die vorliegende Erfindung basiert auf der Erkenntnis, daß die Dörrobstmotte, die in unseren Wohnungen sehr häufig als Nahrungsmittelschädling auftritt, auch eine Allergenquelle darstellen kann. Etwa die Hälfte der untersuchten Patientenseren wiesen IgB gegen Mottenallergene auf. Die Brfindung stellt molekular genau definierte Reagenzien zur Verfügung, die von den beschriebenen Allergen p40 (Argininkinase), p33 (Tropomyosin), p84 (Arylphorin) und p27 (Oxidoreduktase) abgeleitet sind und einerseits eine exakt definierte und einfache in vitro und in vivo Diagnose und The-

rapie der Allergie gegen Motten ermöglichen, andererseits den Nachweis von Mottenproteinen in Proben aus Haushalt, Schule oder Betrieb. Die Bezeichnungen der Allergene erfolgen in Anlehnung an ihre Molekulargewichte in kDa. [0009] Das Allergen p40 ist überdies ein neues Panallergen von wirbellosen Tieren, das auch in der Hausstaubmilbe, in der Schabe und in Meeresfrüchten gefunden wird und in diesen Spezies immunologisch verwandt mit p40 aus der Motte ist. So ist es denkbar, daß man sich durch den Kontakt mit Motten oder Milben sensibilisiert und in der Folge eine Nahrungsmittelallergie gegen Meeresfrüchte entwickelt. Für die Untersuchung einer solchen Kreuzsensibilisierung können das rekombinante p40 oder nahe verwandte Moleküle eingesetzt werden.

#### Beschreibung der Erfindung

[0010] Die Erfindung betrifft eine Nukleinsäure, kodierend für ein allergenes Polypeptid, umfassend

(a) eine der in SEQ ID No. 1, 3, 5 oder 7 dargestellten Sequenzen oder ein Fragment davon, welches für eine allergene Determinante davon kodiert.

10

20

- (b) eine von einer Sequenz gemäß (a) auf Grund einer Degeneration des genetischen Codes abweichende Sequenz,
- (c) eine Sequenz mit einer Identität > 80% zu einer der Sequenzen unter (a) und/oder (b) oder
- (d) eine Sequenz, die mit einer der Sequenzen gemäß (a), (b) und/oder (c) unter stringenten Bedingungen hybridisiert,
- sowie eine Nukleinsäure, umfassend einen Bereich, der für ein Polypeptid mit einer in SEQ ID No. 2, 4, 6 oder 8 dargestellten Sequenz kodiert.

[0011] Ein erster Aspekt der Erfindung sind rekombinante DNA-Moleküle, die Nukleotidsequenzen (I) aufweisen, die Polypeptide kodieren, die die Antigenität der Allergene p40, p33, p84 oder p27 besitzen und aus Arthropoden isoliert sind, oder Nukleotidsequenzen (II), die mit solchen Nukleotidsequenzen (I) unter hochstringenten Bedingungen hybridisieren. Die rekombinanten DNA-Moleküle umfassen auch degenerierte Varianten dieser Nukleotidsequenzen.

[0012] Die rekombinanten DNA-Moleküle können auch Nukleotidsequenzen enthalten, die für Polypeptide kodieren, die antigene Kreuzreaktivität und einen hohen Grad von Identität (vorzugsweise > 50%, insbesondere > 60 % oder > 75%) mit den Allergenen p40 p33, p84 und p27 aus Arthropoden besitzen, die in der Abb. 3-6 angegeben sind. Die Bezeichnungen p40, p33, p84 und p27 beziehen sich auf die Molekulargewichte der Polypeptide in kDa.

[0013] Der Ausdruck "Hybridisierung unter hochstringenten Bedingungen" gemäß der vorliegenden Erfindung wird wie bei Sambrook et al. (Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory Press (1989) 1.101–1.104) verwendet. Bevorzugt liegt eine hochstringente Hybridisierung gemäß der vorliegenden Erfindung vor, wenn nach Waschen für 1 Stunde mit 1 × SSC und 0,1% SDS bei 50°C, bevorzugt bei 55°C, mehr bevorzugt bei 62°C und am meisten bevorzugt bei 68°C, und mehr bevorzugt für 1 Stunde bei 0,2 × SSC und 0,1% SDS bei 50°C, bevorzugt bei 55°C, mehr bevorzugt bei 62°C und am meisten bevorzugt bei 68°C noch ein positives Hybridisierungssignal beobachtet werden kann.

[0014] Der Ausdruck "Identität", wie hierin verwendet, kann durch die Gleichung I(%) = [1 - V/X] × 100 definiert werden, worin I die Identität in % ausgedrückt bedeutet, X die Gesamtzahl der Nukleobasen einer Nukleotidsequenz für p40, p33, p27 oder p84 ist und V die Anzahl an davon abweichenden Nukleobasen der zu vergleichenden Sequenzen ist. [0015] Ein zweiter Aspekt der Erfindung sind rekombinante Expressionsvektoren oder rekombinante Klonierungssysteme, die eine Expressionskontrollsequenz aufweisen, die operativ mit einem der oben beschriebenen Moleküle verknüpft ist.

[0016] Ein dritter Aspekt der Erfindung ist eine Wirtszelle, die mit einem rekombinanten Molekül oder einem Vektor nach dem ersten oder zweiten Aspekt der Erfindung transformiert ist.

[0017] Bin vierter Aspekt der Erfindung ist ein rekombinantes oder synthetisches Protein oder Polypeptid, das antigene Bpitope der p40, p33, p84 oder p27 Molektile besitzt, die in den Aminosäuresequenzen von Abb. 3–6 enthalten sind. Das Protein oder Polypeptid kann dabei mit einem weiteren heterologen Polypeptid wie einer zellulosebindenden Domäne, β-Galaktosidase oder Glutathion-S-Transferase oder irgendeinem anderen Polypeptid fusioniert sein, das in prokaryontischen oder eukaryontischen Zellen exprimiert werden kann. Das Protein oder Polypeptid, das mit p40, p33, p84 oder p27 kreuzreaktiv ist, kann dabei mit analytisch nachweisbaren Gruppen oder mit wasserlöslichen oder wasserunlöslichen Phasen konjugiert sein, die für die Durchführung des Nachweises von Antikörpern wie zum Beispiel IgA, IgD, IgB, IgG oder IgM geeignet sind. In den Aspekten der Erfindung, die sich mit in vitro Diagnostik befassen (siehe unten), können die Peptide der Erfindung a) an eine wasserunlösliche Phase durch physikalische Adsorption oder eine kovalente Bindung gekoppelt sein oder b) kovalent an eine analytisch nachweisbare Gruppe (Markierung) gekoppelt sein.

[0018] Die erfindungsgemäßen Polypeptide oder Fragmente davon, welche antigene Determinanten enthalten, können als Immunogene zur Herstellung von Antikörpern eingesetzt werden. Zur Herstellung von für die allergenen Determinanten spezifischen Antikörpern können Standardprotokolle herangezogen werden. Die Antikörper können dann z. B. zum Nachweis von Allergenen und/oder zur Therapie verwendet werden.

[0019] Die Erfindung umfaßt weiterhin eine pharmazeutische Zusammensetzung, umfassend eine Nukleinsäure, einen Vektor, eine Zelle, ein Polypeptid oder einen Antikörper, wie hierin definiert, als Wirkstoff. Die pharmazeutische Zusammensetzung kann pharmazeutisch annehmbare Hilfsstoffe sowie ggf. weitere Wirkstoffe enthalten. Die pharmazeutische Zusammensetzung kann für diagnostische oder/und therapeutische Zwecke verwendet werden, insbesondere für Therapie oder/und Diagnose von allergischen Erkrankungen.

[0020] Der fünste Aspekt der Ersindung ist eine in vitro Methode der Diagnose von Allergie gegen Arthropodenproteine, die die humoralen Antikörper bestimmt, die gegen die Arthropodenproteine gerichtet sind. Die umfaßten Allergien sind meistens gegen Insekten gerichtet. Die relevanten Antikörper sind meistens von der IgE Klasse, aber auch IgG-Antikörper können wichtige Information über die Allergie liefem. Im Normalfall umfaßt diese Methode den Kontakt einer Körperfülssigkeit aus einem Patienten mit einem Polypeptid der Ersindung. Die Mengenverhältnisse und Bedingungen

werden so gewählt, daß sich Immunkomplexe zwischen dem Polypeptid und Antikörpern in der Probe in einer Menge ausbilden, die eine Funktion der Menge der Antikörper in der Probe ist. Der Immunkomplex wird dann mit einer der an sich bekannten Methoden gemessen. Etwas spezifischer ausgedrückt, eine bevorzugte Methode des fünsten Aspekts der Erfindung besteht darin, eine Probe einer Körperflüssigkeit, die zum Beispiel IgB-Antikörper enthält, mit einem Polypeptid der Erfindung und einem Anti-IgE-Antikörper in Kontakt zu bringen, so daß sich ein IgE-Polypeptid-Anti-IgE-Immunkomplex bildet. Im Normalfall ist entweder das Polypeptid oder der Anti-IgE-Antikörper an eine feste Phase gekoppelt, die entweder unlöslich ist, oder im Testpuffer gefällt werden kann, so daß der Immunkomplex von dem Testpuffer getrennt werden kann. Der Detektionsschritt kann in diesen Varianten unter Verwendung einer analytisch nachweisbaren Gruppe (Markierung) ausgeführt werden, die entweder kovalent an den IgE-Antikörper gekoppelt ist (in diesem Fall ist das Polypeptid an die Festphase gekoppelt) oder an das Polypeptid (in diesem Fall ist der Anti-IgB-Antikörper an die Festphase gekoppelt). Wenn IgG-Antikörper bestimmt werden sollen, dann wird der Anti-IgE-Antikörper durch einen Anti-IgG-Antikörper ersetzt.

[0021] Ein sechster Aspekt der Erfindung ist eine Methode, die, vorzugsweise in vitro, eine zelluläre Reaktion, insbesondere eine Immunreaktion, auf das Polypeptid der Erfindung mißt und ein rekombinantes oder synthetisches Polypeptid wie im vierten Aspekt beschrieben verwendet, um die zelluläre Reaktion, insbesondere die Immunreaktion, zu stimulieren. Als zelluläre Reaktionen können die Histaminfreisetzung aus basophilen Granulozyten oder die Proliferation von T-Lymphozyten, gemessen durch Aufnahme von <sup>3</sup>H-Thymidin gemessen werden, ebenso die Stimulation von eosinophilen Granulozyten, gemessen durch die Freisetzung von Mediatoren, wie zum Beispiel dem eosinophilen kationischen Protein. Die Proben, die in den oben beschrieben Methoden verwendet werden, sind meistens aus Blut gewonnen, wie zum Beispiel heparinisiertem Vollblut, Serum oder Plasma.

[0022] Ein siebenter Aspekt der Erfindung betrifft nur das p40 Allergen und besteht darin, durch Messung der Enzymaktivität des p40 Allergens und seiner Homologen, der Argininkinaseaktivität (EC 2.7.3.3), das Vorhandensein von Arthropodenallergenen in Proben aus der Umwelt des Menschen zu messen, beispielsweise in Staubproben aus Haushalt oder Betrieben. Die Argininkinase katalysiert die reversible Umwandlung von L-Arginin und Adenosintriphosphat (ATP) in N-Phospho-L-Argimin und Adenosindiphosphat (ADP). Für die Messung der Argiminkinaseaktivität sind in der Literatur Standardmethoden beschrieben, die zum Beispiel das entstehende Produkt ADP indirekt messen (Anisike et al.,

[0023] Der achte Aspekt der Erfindung besteht darin, mit Hilfe eines Immunoassays das Vorhandensein der p40, p33, p84 oder p27 Allergene oder deren Homologen in Proben aus der Umwelt des Menschen zu messen, beispielsweise in Staubproben aus Haushalt oder Betrieben. Der Immunassay besteht darin, daß man einen monoklonalen Antikörper aus der Maus, der nach Standardmethoden gegen eines der Polypeptide der Erfindung gewonnen wird, oder ein Antiserum aus einem Wirbeltier, wie zum Beispiel, Kaninchen, Ziege, Schaf, Huhn, das gegen eines der Polypeptide der Erfindung gerichtet ist, mit der Umweltprobe in Kontakt bringt, die auf die p40, p33, p84 oder p27 Allergene oder deren Homologen getestet werden soll. Dabei ist der erste Antikörper oder das Antiserum typischerweise kovalent oder nichtkovalent an eine feste Phase gekoppelt, die Umweltprobe wird in wässriger Lösung oder in einem polaren Lösungsmittel gelöst angeboten. Nach einem Waschschritt wird das gebundene p40, p33, p84 oder p27 Allergen oder seine Homologen mit einem zweiten, markierten monoklonalen Antikörper oder einem Antiserum detektiert,

[0024] Bei diesem Verfahren kann insbesondere ein p40-Homologes aus einer beliebigen Spezies, besonders bevorzugt aus Motte oder Milbe, am meisen bevorzugt aus Hausstaubmilbe, ein p33-Homologes aus einer Schmetterlingsart, insbesondere Motte, ein p84 Homologes aus einer wirbellosen Spezies, insbesondere einer Schmetterlingsart oder/und ein p27-Homologes aus einer beliebigen Spezies, insbesondere von einer Arthropodenart bestimmt werden.

[0025] Der neunte Aspekt der Erfindung besteht darin, aus dem synthetischen oder rekombinanten Polypeptid der Erfindung ein Arzneimittel herzustellen, das zur Hyposensibilisierung (Immunotherapie) von Patienten mit Allergie gegen p40, p33, p84 oder p27 oder deren Homologen eingesetzt werden kann.

[0026] Der zehnte Aspekt der Erfindung besteht darin, solche Fragmente oder Teilpeptide oder Multimere des Poly-

peptids der Erfindung herzustellen, die zwar ein oder mehrere Epitope, insbesondere IgR, IgG oder/und IgA-Epitope, der p40, p33, p84 oder p27 Allergene oder deren Homologen enthalten, aber nicht oder nur in einem stark eingeschränkten Maß zu einer anaphylaktischen Reaktion führen können. Multimere eines Allergens wirken oftmals weniger anaphylaktisch als Monotnere. IgG und IgA-Epitope können eine geringere anaphylaktische Wirkung als IgE-Epitope aufweisen.

Diese Derivate der Polypeptide der Erfindung können zu einem Arzneimittel entwickelt werden, das entweder zur passiven Therapie des Effektororgans eingesetzt werden (Nase, Conjunctiva, Lunge), um einer Freisetzung von Mediatoren bei einer späteren Allergenexposition vorzubeugen, oder ebenfalls zu einer aktiven Immunotherapie im Sinne einer Hyposensibilisierung.

[0027] Ein weiterer Aspekt der Erfindung betrifft ein diagnostisches Mittel zum Nachweis einer Allergie bei einem Patienten, wobei dieses Mittel ein Polypeptid oder einen Antikörper wie oben beschrieben, enthält.

[0028] Mit den Erkenntnissen der vorliegenden Erfindung ist es möglich, eine speziesspezifische Allergiediagnostik unter Verwendung einer Motte, insbesondere der Dörrobstmotte zu betreiben. Hierzu können die Dörrobstmotte, Extrakte davon, wie etwa Gesamtextrakte oder einzelne Bestandteile, insbesondere in Form von Teilextrakten zur Bestimmung einer allergischen Reaktion, beispielsweise als Antigen eingesetzt werden.

[0029] Daneben ist es auch möglich, eine komponentenspezifische Allergiediagnostik durchzuführen, in dem Proben auf die einzelnen, oben beschriebenen Allergene untersucht werden. In diesem Zusammenhang ist die Diagnose einer Argiminkinase, insbesondere aus einer Motte oder aus einer Milbe, beispielsweise der Hausstaubmilbe, von besonders großem Interesse. Aber auch die anderen identifizierten Allergene sowie deren Homologen aus Arthropoden können für eine komponentenspezifische Allergiediagnostik herangezogen werden.

[0030] Auf Grund der hierin präsentierten Ergebnisse kann eine Argininkinase zur Herstellung eines Arzneimittels oder/und eines diagnostischen Mittels zur Behandlung von allergischen Erkrankungen oder/und zur Bestimmung von Allergenen verwendet werden. Bevorzugt wird hierzu eine Argininkinase aus einem Arthropoden, insbesondere aus Motte oder aus Milbe, z. B. Hausstaubmilbe eingesetzt bzw. ein Test auf das Vorhandensein einer solchen Argininkinase

durchgeführt. Bei der Argininkinase handelt es sich bevorzugt um p40 oder eine Argininkinase, die zu p40 eine Identität von > 20%, insbesondere > 50%, bevorzugt > 70% und am meisten bevorzugt > 80%, aufweist und bevorzugt mit p40 konzentriert. [0031] Grundsätzlich eröffnet sich somit eine breite Verwendung der erfindungsgemäß gefundenen Allergen und der dafür kodierenden Nukleinsäuren auf medizinisch-diagnostischem, umweltanalytischem und therapeutischem Gebiet, [0032] Die Erfindung wird durch die folgenden Beispiele und die beigefügten Figuren weiter erläutert. Die Figuren zeigen: [0033] Fig. 1: Immunoblotstreifchen mit Gesamtextrakt aus Larven der Dörrobstmotte, untersucht auf IgE in den Seren von 90 Patienten mit allergischen Beschwerden in Innenräumen (H1-H90, jeweils oberer Teil). Im jeweils unteren Teil wurden Immunoblotstreifchen mit rekombinantem p40 Allergen mit Hexahistidintag mit denselben Seren geprobt. Die Positionen von Molgewichtsmarkern sind auf der linken Seite in kDa angegeben. K ist die Pufferkontrolle ohne Zugabe von Serum, [0034] Fig. 2: Immunoblotstreifchen mit Gesamtextrakt aus Larven der Dörrobstmotte (jeweils oberer Teil), untersucht auf IgB in den Seren von Patienten mit allergischen Beschwerden in Innenräumen plus atopischer Dermatitis (AH1 -AH12), von Patienten mit Pollenallergie ohne angegebene Beschwerden im Haus (P1-P20) und von Normalpersonen (N1-N10). Im jeweils unteren Teil wurden Immunoblotstreifeben mit rekombinantem p40 Allergen mit Hexahistidintag mit denselben Seren untersucht. Die Positionen von Molgewichtsmarkern sind auf der linken Seite in kDa angegeben. K ist die Pufferkontrolle ohne die Zugabe von Serum. [0035] Fig. 3: cDNA (SEQ ID No. 1) und davon abgeleitete Proteinsequenz (SEQ ID No. 2) des Allergens p40 aus Plodia interpunctella [0036] Fig. 4: cDNA (SEQ ID No. 3) und davon abgeleitete Proteinsequenz (SEQ ID No. 4) des Allergens p33 aus Plodia interpunctella [0037] Fig. 5: cDNA (SEQ ID No. 5) und davon abgeleitete Proteinsequenz (SEQ ID No. 6) des Allergens p84 aus Plodia interpunctella [0038] Fig. 6; cDNA (SEQ ID No. 7) und davon abgeleitete Proteinsequenz (SEQ ID No. 8) des Allergens p27 aus Plodia interpunctella [0039] Fig. 7: IgE-Immunoblot. Streifchen mit rekombinantem p40 Fusionsprotein mit einer Zellulose-bindenden Domäne wurden mit einer Auswahl der oben beschriebenen Seren getestet. Auf der rechten Seite sind die Molekulargewichtsmarker angegeben [0040] Fig. 8: Soforttypreaktionen beim Hauttest mit dem rekombinanten p40 Allergen mit Hexahistidintag. a: Pricktest bei dem mottenallergischen Patienten AH11. Keine Hautreaktivität auf Konzentrationen Nr. 10 und 9. Qaddeln und Rötung bei den Konzentrationen Nr. 8 (3.12 ng/µl) bis Nr. 5 (25 ng/µl). Die böheren Konzentrationen wurden nicht mehr getestet. + + Positivkontrolle (Histamindihydrochlorid), - Negativkontrolle (0,9% NaCl). Die Quaddeln sind mit einem Stift markiert. b: Reibetest am kontralateralen Unterarm desselben Patienten, starke Quaddelbildung und Hautrötung in den Konzentrationen Nr. 2 (200 ng/µl) und Nr. 3 (100 ng/µl). c: Vergrößerung des Bereichs von Fig. 8a bevor die Quaddeln angezeichnet wurden. Die urtikarielle Reaktion mit der Bildung von Pseudopodien (Nr. 6) ist gut zu erkennen. d: Vergrößerung von Fig. 8b: Quaddelbildung im Reibetest bei der Konzentration Nr. 2 nach 20 min. [0041] Fig. 9: Spätphasenreaktionen nach 24 h bei der Hauttestung mit dem rekombinanten p40 Allergen mit Hexahia: Reibetest: ekzematöse Reaktion in den Konzentrationen Nr. 6 (12.5 ng/µl) bis Nr. 2 (200 ng/µl). Nr. 1 wurde nicht 45 durchgeführt. b: Reibetest: keine ekzematöse Reaktionen in den Konzentrationen Nr. 10 bis Nr. 7. c: Vergrößerung von Fig. 9a: Ekzematöse Reaktion bei Konzentration Nr. 4. d: Pricktest: Infiltrierte Papeln innerhalb der markierten Grenzen der vorangegangenen Soforttyp-Reaktion. [0042] Fig. 10: Immunoblot-Inhibitionsexperiment. Drei mit rekombinantem p40 Allergen aus der Dörrobstmotte po-50 sitive Seren wurden verwendet, um mit und ohne Präinkubation mit rekombinantem p40 allergenhaltige Extrakte aus verschiedenen Spezies (Dörrobstmotte, Küchenschabe, Hausstaubmilbe, Hummer, Garnele, Miesmuschel und Kabeljau) zu testen. Die Molekulargewichte sind auf der linken Seite der Immunoblots angegeben, von oben nach unten 66, 46, 30 SEQ ID No. 1 zeigt die cDNA des Allergens p40 aus Plodia interpunctella, 55 SEQ ID No. 2 zeigt die davon abgeleitete Proteinsequenz, SEQ ID No. 3 zeigt die cDNA des Allergens p33 aus Plodia interpunctella, SEQ ID No. 4 zeigt die davon abgeleitete Proteinsequenz, SEQ ID No. 5 zeigt die cDNA des Allergens p84 aus Plodia interpunctella, SEQ ID No. 6 zeigt die davon abgeleitete Proteinsequenz, 60 SEQ ID No. 7 zeigt die cDNA des Allergens p27 aus Plodia interpunctella, und SEQ ID No. 8 zeigt die davon abgeleitete Proteinsequenz.

#### Beispiele

#### Beispiel 1

5 Test von verschiedenen Gruppen von Allergikern und Normalpersonen auf IgB-Antikörper gegen Mottenantigene aus Larven der Dörrobstmotte P. interpunctella

[0043] Da im klinischen Bereich eine mögliche Allergie gegen Motten bislang kaum Beachtung gefunden hat, konnte bei der Auswahl der Patienten keine Gruppe definiert werden, die klinische Beschwerden nach Kontakt mit Mottenallergenen als Symptom angab. Deshalb stellten wir filr unsere Arbeit die folgenden Gruppen zusammen, die auf IgE-Antikörper gegen Mottenproteine getestet wurden:

- 1. Patienten mit Typ I allergischen Beschwerden (Rhinitis, Conjunctivitis, allergisches Asthma bronchiale) in Innenräumen (n = 90, Patienten H1– H90),
- 2. Patienten mit atopischer Dermatitis und Typ I allergischen Beschwerden (Rhinitis, Conjunctivitis, allergisches Asthma bronchiale) in Innenräumen (n = 12, Patienten AH1-AH12),
  - 3. Patienten mit nachgewiesener Pollenallergie ohne Typ I allergische Beschwerden (Rhimitis, Conjunctivitis, allergisches Asthma bronchiale) in Innenräumen (n = 20, Patienten P1-P20),
  - 4. Probanden ohne atopische Dermatitis und ohne nachgewiesene Typ I Allergien (n = 10, Probanden N1-N10).

#### IgE-Reaktivität von natürlichen Mottenextrakten

[0044] Präparationen von zwei verschiedenen Mottenspezies wurden verwendet, um mottenspezifische IgE-Antikörper in Patientenseren zu detektieren. Die eine Präparation ist ein kommerziell erhältliches Homogenisat von Faltern der Mehlmotte Ephestia kuchniella (Allergon, Pharmacia Upjohn, Uppsala, Schweden). Die andere Präparation wurde aus Mottenlarven (Wanderstadium, kurz vor der Verpuppung) von der Dörrobstmotte Plodia interpunctella hergestellt. Die Insektenproben (5 Larven) wurden in 0,2 ml PBS homogenisiert, im Verhältnis von 1:1 mit Laemmli-Auftragspuffer versetzt und auf einem 12,5% SDS-Polyacrylamidgel aufgetrennt (Pling und Gregerson, 1986). Es wurde ein präparatives Gel verwendet, auf das etwa 20 µg Gesamtprotein pro cm aufgetragen wurden. Als Marker diente ein Rainbow-Marker (Amersham Pharmacia). Das Gel wurde nach der Elektrophorese auf Nitrozellulose (Schleicher & Schuell, Dassel, Deutschland) geblottet (Towbin et al., 1979) und in 0,5 cm Streifen geschnitten.

[0045] Der Test der Patientenseren auf IgB gegen Motten wurde analog zu der von Jarolim et al. (1989) beschrieben Methode durchgeführt. Die Streifen wurden 2×5 min und 1×30 min in Puffer G (42 mM Na<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub>, 6,4 mM NaH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub>, 0,5% (v/v) Tween 20, 0,5% (w/v) Rinderserumalbumin, 0,05% (w/v) NaN<sub>3</sub>, pH 7.5) bei Raumtemperatur abgesättigt, dann in 1 ml Volumen in 1:10 (wenn nicht anders beschrieben) mit Puffer G verdünnten Patientenseren über Nacht bei 4°C gekippt. Die Streifen wurden 2×5 min und 1×30 min bei Raumtemperatur in Puffer G gewaschen, dann über Nacht mit einer 1:10 Verdünnung eines <sup>125</sup>I-markierten Anti-Human-IgE Antikörpers (Amersham Pharmacia) bei Raumtemperatur gekippt, wie oben gewaschen, getrocknet und aufgeklebt. Gebundenes mottenspezifisches IgE wurde so mit dem radioaktiv markierten Anti-IgE-Antikörper detektiert und die positiven Signale wurden mittels Autoradiographie auf einem Röntgenfilm (Kodak) sichtbar gemacht.

[0046] Die Fig. 1 zeigt in ihrem oberen Teil die Resultate dieses Experiments für die Gruppe der "Indoor"-Allergiker (Patienten mit allergischen Beschwerden in Innenräumen), Figur. 2 zeigt im oberen Teil die Ergebnisse für die anderen drei Gruppen. Die Ergebnisse sind auch weiter unten in Tabelle 1 dargestellt.

#### Tabelle 1

[0047] Zusammenfassung der IgE-Immunoblotresultate gegen verschiedene Allergenextrakte und gegen das rekombinante p40 Allergen mit Hexahistidintag aus der Dörrobstmotte. + + +, sehr starke Reaktion; + + starke Reaktion mit mindestens zwei starken positiven Banden; + schwache positive Reaktion mit mindestens einer sichtbaren Bande; - keine definierte positive Bande beobachtet.

20

45

55

65

Patient	Dörrobst- motten- larven	Mehl- motten- felter	Rek. p40 Allergen (His <sub>e</sub> )	Haus- staub- milbe	Küchen- schabe	
H1	#	+		minoe .		5
H2	•	•			•	J
нз	_	_	_	•		
H4	-	. •	_			
H5	++	+	_		_	
Н6	•	•		++	+	10
H7	. ++	++	-			
H8			-	•	•	
н9 .	· +	<u>.</u>		••	•	
H.10	•	<u>.</u> .	<u>.</u> :	-	• ` ,	15
H11	-	_	•			
H12	· •	_	-		-	
H13	. ++	++	<u>-</u>			
H74	- ' . '		<u>.</u> .	•	++	
H15			<u>-</u>			20
H16	_	_			•	
H17	+ .	· <u>"</u>	-	• +	. •	
H18		_	•			
H19		-	:			25
H20	+++	* * *			•	
H21	+	7 T T	+++	+ +	+++	
H22	+	<u>+</u>	-	++	•	
H23	•	-	-	+	•	
H24			•			30
H25	-		-			
H <b>26</b>	•	· •	. •			
H27	•	. [				
H28 '	+ +	4.4	•			35
H29		<del>-</del>	•	++	++	
H30	-	-	-	+		
H31	-	- I	-	-	-	
H32	++	++	•	•	. •	40
H33 .		. , <del>,</del> +	. TTT	-	+	40
H34	<u>'</u>	- -	•	٠,	-	
H35	+	+	<b>-</b> ,	•	-	
H38	•	T	<b>-</b> .	. •	+	
H37		-	-	•		45
H38		-		•	_	
H39	· ++	+	-	•	• '	
H40		<b></b>	+ +	. +	•	•
H41	+ · +	<b>₹</b> -	•	•	+	50
H42	<u>.</u>	• -	•			
H43	r •	_	-	-	•	
H44	7.	<u> </u>	•			
H45			•			
H46 .	+	<u>.</u> .	-	+++	•	55
	Г	. +	•	+		

DE 100 41 541 A 1

	Patient	Dörrobst- motten- larven	Mehi- motten- falter	Rek. p40 Allergen	Haus- staub-	Küchen- schabe
	H47	-	iaiter	(His <sub>6</sub> )	milbe	
	H48	+	-	-	-	-
	H49		+	-		-
	HEA	-	- -	-		
10	H51	_	, -	-		
	H52	_	_	-		
	H53	++	++	•	•	
15	115 4	+	-	<u>-</u>	+	++
	H55	· -	+	-	•	-
	H56	-	-	+		
	H57	++	+	-		
20	H58	++	-	+	++	
	H59	-	_		T T	-
	H60	-	-	_		
	H61	+	-	-		
25	H62	+	-	-		
	H63	+	-	•		-
	H64	+	-	-		_
30	H65	•	-	-		_
	H66	-	+	-		
	H67	-	-	-		
	H68	-	-	-		
35	H69	+	+	-		
	H70	++	++	-	-	++
	H71 H72	•	-	-		
40	H73	+	-	+	+	-
40	H74	++	+	, •	-	
	H75	-	+	-		
	H76	-	<del>-</del>	-		
45	H77	+++	++	-	•	++
	H78	- + +	•	<del>-</del>		
	H79	+	++	+	•	+
	H80	+	+ +	-	•	++
50	H81	+++	+		•	-
	H82	+	+ + + + +	+	• .	. +++
	H83	_	тт -	•	•	+
	H84	+	_	-	<del>-</del>	
55	H85	· -	-	<u>-</u>	+	_
	H86	++	+	+		_
	H87	- · ·	-	т -	<u>.</u>	+
60	H88	-		-	+	-
	H89	+++	+	+++		_
	H90	-	•	1 T T	+++	+
				_	T T T	-

Patie	ent	Dörrobst- motten- larven	Mehl- motten- falter	Rek. p40 Allergen (His <sub>6</sub> )	Haus- staub- milbe	Küchen- schabe	
AH1		•	•	-			5
AH2		+	•	-	+	_	
АНЗ		+	_	-	•	-	
AH4		+	•	_			
AH5		+	+	_	_	_	10
AH6		+	-	_		_	
AH7		-	-	-			
AH8		++	++	+	+++	++	15
AH9		+	+	<u>.</u>			15
AH10	0	+++	+++	+	+++	++	
AH1		+++	+++	+++	+++	+++	
AH12		++	+++		+++	+	20
P1		+	-	_		1	
P2		<u>-</u>	_	-			
Р3		-	_	-			
P4	•	+++	+++	+++	+	+++	25
P5		+	+	•	++	+	
P6	• •	-	-	-	•	· -	
P7		+	-	-	-	+	
P8		-	-	-	-	-	30
P9		+++	+++	•	+	++	
P10		-	-	-	·	• •	
P11		•	-	-			35
P12		+	-	-	-	+	33
P13			-	-	-	•	
P14		~	<b>-</b> .	-		•	
P15		+	-	-	-	-	40
P16		+	-	-	-	-	
P17		-	-	-			
P18		-	-	-			
P19		+	++	-	+	+	45
P20		+	++	<b>-</b> ·	+	+	
N1		-	-	-	-	•	
N2		-	-	-	-	-	
N3		-	-	<b>-</b> ·	-	-	50
N4		-	-	•	-	-	
N5		-	-	-	-	-	
N6		-	-	-			SS
N7		-	-	-			33
N8		•	-	-			
N9		-	•	-			
N10	T-0	rt unwden bei der	. 117 1 # 4**	• ·			60

[0048] Insgesamt wurden bei den "Indoor"-Allergikern (n = 90) beim IgB-Immunoblot mit dem Dörrobstmottenlarven-Gesamtextrakt 4 sehr stark positive, 13 stark positive und 25 schwach positive Reaktionen beobachtet, bei den Atopikern mit allergischen Beschwerden in Innenräumen (n = 12) 2 sehr stark positive, 2 stark positive und 6 schwach positive. Bei den Pollenallergikern ohne angegebene allergische Beschwerden in Innenräumen (n = 20) gab es 2 sehr stark positive und 8 schwach positive Reaktionen. Insgesamt wurde bei 51% der Patienten eine positive Reaktion auf Mottenlarvenproteine beobachtet. Keine der nichtallergischen Kontrollpersonen zeigte eine Reaktion im Immunoblot.

Test auf IgE-Antikörper gegen Proteine der Mehlmotte (E. kuehniella) im Falterstadium

[0049] Das gleiche Patientenkollektiv wie oben wurde auf Streifchen mit einem kommerziell erhältlichen Extrakt aus der Mehlmotte untersucht, wobei die Ergebnisse auch in der Tabelle 1 dargestellt sind. Insgesamt zeigten 36% der Allergiker eine positive Reaktion auf Mottenfalter.

Test auf IgE-Antikörper gegen Proteine der Haustaubmilbe (Dermatophagoides pteronyssinus) und der Küchenschabe (Blattella germanica)

10 [0050] Ausgewählte Patienten und Normalpersonen aus dem Kollektiv wurden auf Streifehen mit kommerziell erhältlichen Extrakten aus der Hausstaubmilbe und der Küchenschabe getestet. Die Ergebnisse sind wieder in Tabelle 1 dargestellt. Die Küchenschabe ist ein flügelloses Insekt und näher mit der Dörrobstmotte verwandt als die Hausstaubmilbe, die zu den Spinnentieren zählt. Alle drei zählen zu den Gliederfüßlern (Arthropoden). Trotz der phylogenetischen Verwandtschaft der drei Spezies ist die IgB-Reaktivität der Patienten oft stark unterschiedlich. So reagiert zum Beispiel Patient H81 sehr stark auf Motte und Küchenschabe, aber nicht auf die Hausstaubmilbe. Patient H90 reagiert nur sehr stark mit der Milbe, aber nicht mit Schabe oder Motte. Patienten H7, H9, H33, H80, AH5 und AH9 reagieren auf Mottenlarven und Falter, aber nicht auf Schabe oder Milbe.

#### Beispiel 2

Isolierung und molekulare Charakterisierung eines cDNA Klons, der für das P. interpunctella Allergen p40 kodiert

20

35

### Konstruktion einer cDNA-Bank von Plodia interpunctella

[0051] Die Insekten (Plodia interpunctella) wurden in Haferflocken angezüchtet (S, Prozell, M. Schöller, Institut für Vorratsschutz, Biologische Bundesanstalt, Berlin). 180 Larven im späten Wanderstadium, kurz vor der Verpuppung (2,4 g) wurden zur Präparation von RNA eingesetzt. Die Larven wurden in 30 ml Trizol Reagens (Life Technologies, Frederick, MY, USA) homogenisiert, und aus der wäßrigen Phase wurde nach dem Protokoll des Herstellers die RNA gewonnen. Aus 5 μg der erhaltenen Gesamt-RNA wurden mit Hilfe des PolyATtract Systems (Promega, Madison, WI, USA) polyA+ RNA gewonnen. Die mRNA wurde in cDNA überschrieben und diese mit Hilfe des Uni-ZAP Systems (Stratagene, La Jolla, CA, USA) auf gerichtete Weise in λ ZAP Phagen eingebaut. Die primäre Bank enthielt 3 × 106 cDNA Klone und wurde nach Standardmethoden amplifiziert.

#### IgE-Immunoscreening und Analyse der immunopositiven Klone

[0052] Zum Screening einer cDNA-Bank von Plodia interpunctella wurden Seren der Patienten AH11 (Screen 1), H20 (Screen 2) und AH10 und AH12 (Screen 3) verwendet. 360000 (Screen 1) oder 200000 (Screen 2, 3) Phagen der λ ZAP cDNA Bank wurden auf einem Rasen von Escherichia coli XL1-Blue (Stratagene) Zellen in einer Dichte von 15000 Phagen pro Petrischale mit 140 mm Durchmesser ausplattiert. Die Synthese von rekombinanten Proteinen wurde durch Auflegen von Nitrozellulosefiltem (Schleicher & Schtill, Dassel, Deutschland) induziert, die mit einer 10 mM IPTG (Isopropylthio-β-D-Galaktosid) Lösung getränkt waren (Huynh et al., 1985). 31 (Screen 1, Patient AH11) bzw. 11 (Screen 2, Patient H20) und 6 (Screen 3, Patienten AH10 und AH12) immunopositive Klone wurden jeweils mit Hilfe von Patientenseren und von <sup>125</sup>I-markierten, gegen humanes IgE gerichteten Antikörpern (Pharmacia & Upjohn, Uppsala, Schweden) nach etablierten Methoden (Breiteneder et al., 1989; Valenta et al., 1991; Vrtala et al., 1993) isoliert.

#### DNA-Sequenzanalyse der immunopositiven Klone

[0053] Aus den positiven Phagen wurden durch "in vivo excision" (Short et al., 1988) mit Hilfe von Helferphagen (Stratagene, La Jolla, CA) die entsprechenden cDNA Plasmide gewonnen und nach Standardmethoden isoliert. Die DNA wurde mit Hilfe von Thermosequenase (Amersham Pharmacia, Uppsala, Schweden) und IRD800-markierten Primern (MWG Biotech, Ebersberg) auf einem LI-COR Sequenzer (LI-COR, Lincoln, NE) analysiert. Die Basensequenzen wurden in Aminosäuresequenzen übersetzt und mit Hilfe des FastA-Programms (Pearson und Lipman, 1988) mit der SwissProt Datenbank verglichen. Alle Klone wurden mit Hilfe des GAP Programms aus dem UWGCG Programmpaket (Program Manual for the Wisconsin Package, Version 8, August 1994, Genetics Computer Group, 575 Science Drive, Madison, Wisconsin, USA 53711) miteinander verglichen. Auf diese Weise und mit Hilfe des Vergleichs zu den homologen Proteinen wurden Klone identifiziert, die einen kompletten Leserahmen aufwiesen. [0054] Beim Screening von 360000 Phagen der \( \) ZAP cDNA Bank mit dem Serum AH11 wurden 31 immunopositive Klone erhalten. Die in vivo exzidierten Plasmide wurden zunächst mit EcoRI und XhoI gespalten und auf einem Agarosegel wurden die Schnittmuster analysiert. Alle analysierbaren Klone enthielten dieselbe cDNA. Der längste verfügbare Klon wurde sequenziert (Fig. 3) und der offene Leserahmen, der ein Polypeptid von vorhergesagten 40 kDa (p40) darstellte, wurde mit den Datenbanken verglichen. Es zeigte sich, daß das gefundene Polypeptid (Fig. 3) über die gesamte Länge mit Argininkinasen verschiedener Spezies homolog war. Argininkinasen können die terminale Phosphatgruppe von ATP auf Arginin übertragen und so einen Energiereservestoff bilden. Bislang sind Argininkinasen nicht als Allergene identifiziert worden (siehe auch Einleitung). Die dem p40 Allergen am nächsten verwandte Argininkinase aus der Honigbiene (Kucharski und Maleszka, 1998) weist 85% Aminosäure-Sequenzidentität mit p40 auf.

#### Beispiel 3

Isolierung und molekulare Charakterisierung eines cDNA Klons, der für das P. interpunctella Allergen p33 kodiert

[0055] 200000 Phagen der  $\lambda$  ZAP cDNA Bank wurden wie oben beschrieben mit dem Serum H20 gescreent, dabei wurden 11 immunopositive Klone erhalten. Die in vivo exzidierten Plasmide wurden wie oben analysiert und sequenziert. 10 der 11 Klone kodierten für das gleiche Protein. Drei der Klone hatten die volle Länge, und zwei von ihnen hatten die identische Sequenz, die in Fig. 4 dargestellt ist. Der offene Leserahmen stellt ein Allergen von 33 kDa dar (p33), das mit Tropomyosinen verschiedener Spezies eng verwandt ist. Tropomyosine sind als kreuzreagierende Allergene besonders auch aus dem Bereich der Nahrungsmittelallergie bekannt (Reese et al., 1999).

#### Beispiel 4

10

15

35

Isolierung und molekulare Charakterisierung eines cDNA Klons, der für das P. interpunctella Allergen p84 kodiert

[0056] 200000 Phagen der \(\lambda\) ZAP cDNA Bank wurden wie oben beschrieben mit den Seren AH10 und AH12 gescreent, dabei wurden \(\textit{6}\) inmunopositive Klone erhalten. Die in vivo exzidierten Plasmide wurden wie oben analysiert und sequenziert. Nur einer der Klone (Sequenz Fig. 5) kodierte für ein Protein in voller Länge, es handelte sich um ein homologes zu Arylphorinen. Arylphorine gelten als Speicherproteine von Insekten und enthalten einen hohen Anteil an Tyrosin. Ein Arylphorin der Schabe (Periplaneta americana) ist bereits in einer Publikation (Wu et al., 1996) als Allergen beschrieben.

#### Beispiel 5

Isolierung und molekulare Charakterisierung eines cDNA Klons, der für das P. interpunctella Allergen p27 kodiert

[0057] 200000 Phagen der λ ZAP cDNA Bank wurden wie oben beschrieben mit dem Serum H20 gescreent (Screen 2), ebensoviele mit den Seren AH 10 und AH12 (Screen 3). Die in vivo exzidierten Plasmide wurden wie oben analysiert und sequenziert. Biner der Klone von Screen 2 und drei der Klone von Screen 3 kodierten für das gleiche Protein. Ein Sequenzvergleich der durch Übersetzung erhaltenen Aminosäuresequenz ergab eine signifikante Ähnlichkeit mit einer Glukose 1-Dehydrogenase aus Bacillus megaterium (36 % Sequenzidentität, Nagao et al., 1992). Es gab auch eine kleinere aber noch signifikante Ähnlichkeit mit dem Alt a 2 Allergen aus dem Pilz Alternaria alternata (26% Sequenzidentität, De Vouge et al., 1998), einer Aldehyddehydrogenase, und dem Bet v 5 Allergen aus der Birke (20% Sequenzidentität, Karamloo et al., 1999), einer Isoflavonreduktase. Bei dem p27 Allergen handelt es sich also um ein Redoxenzym. Die Sequenzist in Fig. 6 dargestellt.

#### Beispiel 6

Expression des p40 Allergens mit einem Hexahistidintag und als Fusionsprotein in E. coli

[0058] Die p40 cDNA wurde auf zwei verschiedene Weisen in pET-Expressionsvektoren einkloniert so daß das p40 Allergen einmal nur mit einem Hexahistidintag und einmal als Fusionsprotein mit einer Zellulosebindenden Domäne erzeugt wurde. Das erste Konstrukt wurde unter nativen Bedingungen gereinigt. Das zweite Konstrukt wurde über eine Zellulosesäule gereinigt. Sowohl das Fusionsprotein mit einer zellulosebindenden Domäne als auch das Nichtfusionsprotein mit Hexahistidintag besaßen Argininkinaseaktivität.

Konstruktion eines Expressionsvektors zur Expression des p40 Allergens mit einem Hexahistidin-"Tag"

[0059] Die komplette cDNA wurde in zwei Stufen in die EcoRI und XhoI Schnittstellen des Plasmids pET23(+) (Novagen, Madison, Wisconsin, USA) einkloniert. Die Ribosomenbindungsstelle wurde mit Hilfe der Oligonukleotidabhängigen Mutagenese nach Kunkel et al., (1987) in den Expressionsvektor eingebaut. Dazu wurde das Mutageneseoligonukleotid 5'-GGT AGC CGC GTC CAC CAT GGT ATA TCT CCT TCT AGA GGG AAA CCG-3' verwendet. Der entstandene Vektor pETAK1 wurde durch DNA-Sequenzanalyse überprüft. In dem Vektor wurde dann am carboxyterminalen Ende der Sequenz durch eine zweite Mutagenese mit dem Oligonukleotid 5'-ATC TCA GTG GTG GTG GTG GTG GTG GTG CAG GGA TTT CTC GAT TTT GAT-3' ein Hexahistidintag für die Reinigung über eine Nickelaffinitätssäule (Qiagen, Hilden, Deutschland) in das Expressionsplasmid eingebracht, und es entstand der Vektor pETHisAK1, der durch Sequenzierung überprüft wurde.

Expression und Reinigung des p40 Allergens als Nichtfusionsprotein mit einem Hexahistidin-"Tag"

[0060] Der Vektor pETHisAK1 wurde in Escherichia coli BL21 (DE3) transformiert und die transformierten Zellen in einer 400 ml Kultur bei 37°C geschüttelt bis zu einer optischen Dichte (600 mm) von 0,8. Die Synthese des rekombinanten Proteins wurde durch Zugabe von 0,4 mM (Endkonzentration) von IPTG (Isopropyl-β-D-Galaktosid) induziert, und die Kultur wurde noch 3 h bei 37°C weitergeschüttelt. Die Zellen wurden durch Zentrifugation geerntet, dann wurden die Zellen 10 min in Lysepuffer (100 mM KCl, 50 mM Mes, 4% (v/v) Triton X-100, 8 mM DTT, 8 mM EDTA, 25 µg/ml Polymyxin B Sulfat (Sigma, St. Louis, MO, USA), pH 7.5) behandelt (Schupp et al., 1995). Zelldetritus wurde 30 min bei 2000 × g und 4°C abzentrifugiert. Das Protein wurde mit Hilfe von zentrifugierbaren Kleinsäulen unter nativen Bedingungen durch Nickelchelat-Affinitätschromatographie gereinigt wie vom Hersteller (Qiagen) beschrieben.

### Konstruktion eines Expressionsklons zur Expression des p40 Allergens als Pusionsprotein

[0061] Die komplette cDNA, die für das p40 Allergen kodiert, wurde in den Expressionsvektor pET36b (Novagen) nach Standardmethoden (Sambrook et al., 1989) unter Verwendung der EcoRI und XhoI Restriktionsstellen umkloniert. Dies geschah in zwei Stufen, da die cDNA eine interne XhoI-Stelle aufwies. Der noch fehlende Übergang zwischen der Sequenz, die für die Zellulose bindende Domäne kodierte und der Sequenz, die für die Argininkinase kodierte, wurde mit Hilfe der Oligonukleotid-abhängigen Mutagenese nach Kunkel et al., (1987) in den Expressionsvektor eingebaut. [0062] Dazu wurde das Mutageneseoligonukleotid 5'-GGT AGC GGC GTC CAC CAT GGT ATA TCT CCT TCT AGA GGG AAA CCG-3' verwendet, Der entstandene Vektor pCBDAK1 wurde durch DNA-Sequenzanalyse überprüft,

Expression eines Fusionsproteins aus einer Zellulose-bindenden Domäne und dem p40 Allergen

10

35

[0063] Der Vektor pCBDAK1 wurde in Escherichia coli BL21 (DE3) transformiert und die transformierten Zellen in einer 400 ml Kultur bei 37°C geschüttelt bis zu einer optischen Dichte (600 nm) von 0,8. Die Synthese des rekombinanten Proteins wurde durch Zugabe von 0,4 mM (Endkonzentration) von IPTG (Isopropyl-B-D-Galaktosid) induziert, und die Kultur wurde noch 3 h bei 37°C weitergeschüttelt. Die Zellen wurden durch Zentrifugation geerntet, dann wurden die Zellen 10 min in Lysepuffer (100 mM KCl, 50 mM Mes, 4% (v/v) Triton X-100, 8 mM DTT, 8 mM EDTA, 25 µg/ml Polymyxin B Sulfat (Sigma, St. Louis, MO, USA), pH 7.5) behandelt (Schupp et al., 1995). Zelldetritus wurde 30 min bei 2000 × g und 4°C abzentrifugiert. Das Fusionsprotein wurde durch Zellulose-Affinitätschromatographie gereinigt wie vom Hersteller (Novagen) beschrieben.

Test des rekombinanten p40 Allergens mit Hexahistidintag und des Fusionsproteins aus einer Zellulose-bindenden Domäne und dem p40 Allergen auf IgB-Reaktivität

[0064] Das gereinigte p40 Allergen mit einem Hexahistidintag wurde wie oben beschrieben in einer Konzentration von 10 µg pro cm auf einem präparativen 12,5% SDS-Polyacrylamidgel elektrophoretisiert, auf Nitrozellulose geblottet und mit jenen Patientenseren getestet, die in den oben beschriebenen Experimenten mit dem Extrakt von P. interpunctella Larven getestet worden waren.

[0065] Das gereinigte rekombinante Fusionsprotein wurde wie oben beschrieben in einer Konzentration von 5 µg pro cm auf einem präparativen 12,5% SDS-Polyacrylamidgel elektrophoretisiert, auf Nitrozellulose geblottet und mit jenen Patientenseren getestet, die in den oben beschriebenen Experimenten mit dem Extrakt von P. interpunctella Larven positive Signale ergeben hatten.

Test der oben beschriebenen Patienten und Normalpersonen auf IgB-Antikörper gegen das rekombinante p40 Allergen mit Hexahistidintag

[0066] Alle Seren der oben beschriebenen Patienten und Normalpersonen wurden auf gleiche Weise wie oben beschrieben auf IgB-Antikörper gegen das gereinigte p40 Allergen mit Hexahistidintag getestet (Fig. 1, 2, Tabelle 1). Bei diesem Versuch zeigte sich eine Reaktivität nur im Molekulargewichtsbereich bei 40 kDa, deshalb ist ein schmalerer Ausschnitt der Immunoblots unter den Blots mit Larvenproteinen dargestellt. Insgesamt waren 10 von 90 "Indoor"-Allergikern positiv, 3 von 12 Atopikern mit "Indoor"-Allergie und einer von 20 Pollenallergikern ohne angegebene allergischen Beschwerden in Innenräumen. Das bedeutet, dass 11% der Patienten H1-H90 und 23% der Patienten AH1-AH12 IgE gegen Larven der Dörrobstmotte hatten.

45 Test von Patienten und Normalpersonen auf IgE-Antikörper gegen das rekombinante p40 Fusionsprotein mit Zellulosebindender Domäne

[0067] Eine Auswahl der oben beschriebenen Seren wurde auf IgE gegen das rekombinante p40 Fusionsprotein getestet (Beispiele in Fig. 7). Auch das rekombinante p40 Pusionsprotein war geeignet, IgB-Antikörper gegen das natürliche p40 Antigen nachzuweisen.

#### Beispiel 7

#### Hauttests

[0068] Das gereinigte rekombinante p40 Allergen mit Hexahistidintag wurde in steriler 0,9% NaCl-Lösung auf 10 verschiedene Konzentrationen eingestellt: Nr. 1 enthielt 400 ng/µl, die weiteren Proben enthielten absteigende Konzentrationen von 200 ng/µl (Nr. 2), 100 ng/µl (Nr. 3), 50 ng/µl (Nr. 4), 25 ng/µl (Nr. 5), 12,5 ng/µl (Nr. 6), 6,25 ng/µl (Nr. 7), 3,13 ng/µl (Nr. 8), 1,56 ng/µl (Nr. 9) und 0,78 ng/µl (Nr. 10). Vor dem intrakutanen Hauttest wurde am kontralateralen Arm ein Reibetest mit je 30 µl der Konzentrationen Nr. 10 bis Nr. 2 durchgeführt und nach 5, 10 und 20 min sowie 24 h abgelesen. Die Negativkontrolle war 0,9% NaCl, als Positivkontrolle wurde Histamindihydrochlorid in einer Konzentration von 1 mg/ml verwendet. Basierend auf den Ergebnissen des Reibetests wurde dann der Pricktest in den Konzentrationen Nr. 10 bis Nr. 5 durchgeführt und jeweils nach 20 min und 24 h abgelesen.

[0069] Der mottenallergische Patient AH11 wurde gegen das rekombinante p40 Allergen mit Hexahistidintag zuerst im Reibetest und dann im Pricktest untersucht. Im Reibetest (Fig. 8b) riefen die Konzentrationen Nr. 10 bis Nr. 6 keine Sofortreaktionen hervor, die Konzentration Nr. 5 induzierte einen leichten Juckreiz im Probegebiet, Nr. 4 rief nach 5-10 Minuten winzige Quaddeln hervor, Nr. 3 und Nr. 2 riefen multiple Quaddeln (Durchmesser 4–5 mm) hervor. Diese hat-

ten nach 15-20 min die maximale Ausprägung (Fig. 8d) und bildeten sich alle nach 45 min zurück.

[0070] Nach dem Reibetest wurde der Pricktest mit den gleichen Verdünnungen (Nr. 10 bis Nr. 5) in aufsteigenden Konzentrationen durchgeführt (Fig. 8a). Auf die Konzentrationen Nr. 10 und Nr. 9 wurde keine unmittelbare Hautreaktion beobachtet. Qaddeln und Hautrötung traten in den Konzentrationen Nr. 8 (3,12 ng/µl) bis Nr. 5 (25 ng/µl) auf. Der Durchmesser der Quaddeln war zwischen 7 mm (Konzentration Nr. 8) und 15 mm (Konzentration Nr. 6) (Fig. 8c). Aufgrund der Stärke der Reaktionen von den Konzentrationen Nr. 8 bis Nr. 5 wurden Konzentrationen Nr. 4 bis Nr. 1 nicht getestet. Die Quaddeln wurden zur Dokumentation bei ihrer maximalen Ausprägung nach 20 min mit einem Stift markiert und bildeten sich nach 45 min spontan zurück.

[0071] Bei der Ablesung nach 24 h wurden innerhalb der markierten Grenzen der vorangegangenen Soforttyp-Reaktionen akzematoide Papeln als Späiphasenreaktion des Pricktests beobachtet (Fig. 9d). Der kontralaterale Arm, an dem der Reibetest durchgeführt worden war, zeigte eine ausgeprägte ekzematöse Reaktion im Gebiet der Konzentrationen Nr. 6 bis Nr. 4 (Fig. 9a, c), während bei den niedrigeren Konzentrationen Nr. 10 bis Nr. 7 keine ekzematöse Reaktion beobachtet wurde (Fig. 9b).

#### Beispiel 8

Immunoblot-Inhibition und Nachweis der Kreuzreaktivität des p40 Allergens mit Allergenen verschiedener Spezies

15

45

[0072] Aus der Literatur ist bekannt, daß eine enzymatische Argininkinaseaktivität praktisch in allen untersuchten Invertebraten vorkommt. Um zu überprüfen, welche immunologische Ähnlichkeiten zwischen dem p40 Allergen der Dörrobstrnotte und den Homologen in anderen Spezies bestehen, wurde ein Immunoblot-Inhibitionsexperiment durchgeführt. Allergenextrakte aus der Milbe (Dermatophagoides pteronyssinus), Küchenschabe (Blattella germanica), Garnele (Penaeus monodon), Hummer (Homarus gammarus), Miesmuschel (Mytilus edulis), und Kabeljau (Gadus morhua) als einzigem Vertebraten wurden entweder eingekauft (Milbe und Schabe) oder aus frisch eingekauftem, ungekochten Muskelfleisch präpariert.

[0073] Die Gesamtallergene von der Milbe und der Küchenschabe stammten von Pharmacia/Allergon. Die verschiedenen Meeresfrüchte wurden in frischem, ungekochten Zustand auf dem Naschmarkt in Wien erworben. Es wurde so gut wie möglich nur Muskelfleisch verarbeitet. Die verschiedenen Proben (1 -5 g) wurden in flüssigem Stickstoff eingefroren, in der Reibschale zerrieben, mit 3 ml pro g Probe in eiskaltem bidest. H<sub>2</sub>O mit 5 mM PMSF (Phenylmethansulfonylfluorid) 1 h bei 4°C gerührt. Ein Volumen Auftragspuffer (Fling und Gregerson, 1986) wurde zugesetzt und die Proben wurden 10 min bei 95°C denaturiert, unlösliche Bestandteile wurden 10 min bei 14500 Upm und 4°C abzentrifugiert, und die Proteinkonzentration der Extrakte wurde auf einem Coomassie-gefärbten SDS-Polyacrylamidgel abgeschätzt. Wie oben wurden präparative Gele mit 200 µg Protein pro cm gefahren, auf Nitrozellulose geblottet und in Streifen geschnitten.

[0074] Das Serum des Patienten AH11 und von den Patienten H89 und H32 wurde in der Konzentration 1:10 mit Puffer G (42 mM Na<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub>, 6,4 mM NaH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub>, 0,5% (v/v) Tween 20, 0,5% (w/v) Rinderserumalbumin, 0,05% (w/v) NaN<sub>3</sub>, pH 7.5) verdünnt. Je 1 ml der Proben wurde entweder mit 10 µg des rekombinanten p40 Allergens mit Hexahistidintag in Puffer G, oder nur in Puffer G über Nacht bei 4°C präinkubiert, und dann wurde je mit einem Streifen Nitrozellulose mit geblotteten Extrakten die IgE-Reaktivität bestimmt. Das gebundene IgE wurde wie üblich mit jodmarkierten Antihuman-IgE Antikörpern detektiert.

[0075] Bei allen untersuchten Invertebratenspezies reagierten die Seren mit einer Bande im Bereich von 40 kDa, die durch Präinkubation mit dem rekombinanten p40 Allergen aus der Dörrobstmotte entweder ausgelöscht (Dörrobstmotte, Hausstaubmilbe) oder abgeschwächt (Küchenschabe, Garnele, Hummer, Miesmuschel) wurde (Fig. 10). Im Extrakt aus Kabeljau gab es zwar eine Reihe von allergenen Proteinen, aber keines von ihnen wurde durch Präinkubation mit dem p40 Allergen aus der Motte teilweise oder vollständig inhibiert.

#### LITERATUR

Anisike E O, Moreland B H, Watts D C (1975) Evolutionary variation between a monomer and a dimer arginine kinase. Biochem. J. 145: 535-543.

Arruda L K, Vailes L D, Benjamin D C, Chapman M D (1995) Molecular cloning of German cockroach (Blattella germanica) allergens. Int. Arch. Allergy Immunol. 107: 295-297.

Baldo B A, Panzani R C (1988) Detection of IgE antibodies to a wide range of insect species in subjects with suspected inhalant allergies to insects, Int. Arch. Allergy Appl. Immunol. 85: 278-287.

Breiteneder H, Pettenburger K, Bito A, Valenta R, Kraft D, Rumpold H, Scheiner O, Breitenbach M (1989) The gene coding for the major birch pollen allergen Bet v 1, is highly homologous to a pea disease resistance response gene.

Davis FM, Jenkins JN (1995) Management of scales and other insect debris: occupational health hazard in a lepidopterous rearing facility. J. Econ. Entomol. 88: 185-191.

De Vouge M W, Thaker A J; Zhang L, Muradia G, Rode H, Vijay H M (1998) Molecular cloning of IgB-binding fragments of Alternaria alternata allergens. Int. Arch. Allergy Immunol. 116: 261-268.

Fling S P, Gregerson D S (1986) Peptide and protein molecular weight determination by electrophoresis using a high-molarity tris buffer system without urea, Anal. Biochem. 155: 83-8.

Huynh T V et al., In: cDNA cloning, Oxford, IRL Press, 1 (1985) 49-78.

Jarolim B, Rumpold H, Endler A T, Ebner H, Breitenbach M, Scheiner O, Kraft D (1989) IgE and IgG antibodies of patients with allergy to birch pollen as tools to define the allergen profile of Betula verrucosa. Allergy 44: 385-395. Karamloo P, Schmitz N, Scheurer S, Foetisch K, Hoffmann A, Haustein D, Vieths S (1999) Molecular cloning and characterization of a birch pollen minor allergen, Bet v 5, belonging to a family of isoflavone reductaserelated proteins, J. Allergy Clin. Immunol. 104: 991-999.

- Komase Y, Sakata M, Azuma T, Tanaka A, Nakagawa T (1997) IgE antibodies against midge and moth found in Japanese asthmatic subjects and comparison of allergenicity between these insects. Allergy 52: 75-81.
- Kraft D, Ferreira F, Vrtala S, Breiteneder H, Ebner C, Valenta R, Susani M, Breitenbach M, Scheiner O (1999) The importance of recombinant allergens for diagnosis and therapy of IgB-mediated allergies. Int. Arch. Allergy Immunol. 118: 171-176.
- Kucharski R, Maleszka R (1998) Arginine kinase is highly expressed in the compound eye of the honey bee, Apis mellifera. Gene 211: 343-349.
- Kunkel T A, Roberts J D, Zakour R A (1987) Rapid and efficient site-specific mutagenesis without phenotypic selection. Methods Enzymol. 154: 367-382.
- Lin R-Y, Shen H-D, Han S-H (1993) Identification and characterization of a 30 kd major allergen from Parapenaeus fissurus. J. Allergy Clin. Immunol. 92: 837-845.
  - Miyamoto T, In: Advances in Allergology and Clinical Immunology, Eds Godard P et al., The Parthenon Publishing Group-Carnforth, U. K. and New Jersey, USA, (1992) 343-347.
- Nagao T, Mitamura T, Wang X H, Negoro S, Yomo T, Urabe I, Okada H (1992) Cloning, nucleotide sequences, and enzymatic properties of glucose dehydrogenase isozymes from Bacillus megaterium IAM1030. J. Bacteriol. 174: 5013-5020.
  - Pearson W R, Lipman D J (1988) Improved tools for biological sequence comparison. Proc. Natl. Acad. Sci. USA 85: 2444-2448.
- Reese G, Ayuso R, Lehrer S B (1999) Tropomyosin: an invertebrate panallergen. Int. Arch. Allergy Immunol. 119:
- Rosenstreich D L, Eggleston P, Kattan M, Baker D, Slavin R G, Gergen P, Mitchell H, McNiff Mortimer K, Lynn H, Ownby D, Malveaux F (1997) The role of cockroach allergy and exposure to cockroach allergen in causing morbidity among inner-city children with asthma. N. Engl. J. Med. 336: 1356–1363.
- Schupp J M, Travis SE, Price L B, Shand R F, Keim P (1995) Rapid bacterial permeabilization reagent useful for enzyme assays. Biotechniques 19: 18-20.
  - Segal D M, Taurog J D, Metzger H (1977) Dimeric immunoglobulin E serves as a unit signal for mast cell degranulation. Proc. Natl. Acad. Sci. USA 74: 2993-2997.
  - Short J M, Fernandez J M, Sorge J A, Huse W D (1988) Lambda ZAP: a bacteriophage lambda expression vector with in vivo excision properties. Nucleic Acids Res. 16: 7583-7600.
- Storms W W, Berry C, Withee W (1981) Miller moth asthma. Clin. Allergy 11: 55-59.

  Suzuki M, Itoh H, Sugiyama K, Takagi I, Nishimura J, Kato K, Mamiya S, Baba S, Ohya Y et al. (1995) Causative allergens of allergic rhimitis in Japan with special reference to silkworm moth allergen. Allergy 50: 23-27.
  - Thomas WR, Smith W (1999) Towards defining the full spectrum of important house dust mite allergens, Clin, Exp. Allergy 29: 1583-1587.
- 35 Towbin H, Staehelin T, Gordon J (1979) Electrophoretic transfer of proteins from polyacrylamide gels to nitrocellulose sheets: procedure and some applications. Proc. Natl. Acad. Sci. USA 76: 4350-4354.
  Unger A, Stoger P, Simon Nobbe B, Susani M, Crameri R, Ebner C, Hintner H, Breitenbach M (1999) Clinical testing of recombinant allergens of the mold Alternata alternata. Int. Arch. Allergy Immunol. 118: 220-221.
- Valenta R, Duchêne M, Pettenburger K, Sillaber C, Valent P, Bettelheim P, Breitenbach M, Rumpold H, Kraft D, Scheiner O (1991) Identification of profilin as a novel pollen allergen; IgE autoreactivity in sensitized individuals. Science 253: 557-560.
  - Valenta R, Lidbolm J, Niederberger V, Hayek B, Kraft D, Gronlund H (1999) The recombinant-allergen-based concept of component-resolved diagnostics and immunotherapy (CRD and CRIT). Clin. Exp. Allergy 29 (1999) 896–904. Van Wijnen J H, Verhoeff A P, Mulder Folkerts D K, Brachel H J, Schou C (1997) Cockroach allergen in house dust. Al-
- Vrtala S, Sperr W R, Reimitzer I, von Ree R, Laffer S, Muller W D, Valent P, Lechner K, Rumpold H, Kraft D, et al. (1993) cDNA cloning of a major allergen from timothy grass (Phleum pratense) pollen; characterization of the recombinant Phl pV allergen. J. Immunol. 151: 4773-4781.
- Wang X, Zheng S, Zhang H (1994) A study of occupational asthma and specific IgE in sericulture workers. Chung Kuo I

  Hsueh Ko Hsueh Yuan Hsueh Pao. 16: 323–327
  - Wu CH, Lee MF, Liao SC, Luo SF (1996) Sequencing analysis of cDNA clones encoding the American cockroach Cr-Pl allergens. Homology with insect hemolymph proteins. J. Biol. Chem. 271: 17937–17943.
  - Wyss M, Maughan D, Wallimann T (1995) Re-evaluation of the structure and physiological function of guanidino kinases in fruitfly (Drosophila), sea urchin (Psammechinus miliaris) and man. Biochem. J. 309: 255-261.

60

55

65

### SEQUENZPROTOKOLL

<110> Quchene, Michael	
<120> Rekombinante Allergene aus der Motte Plodia interpunctella	
<130> 22034pdemd	
<140>	1
<141>	
<160> 8	1
<170> PatentIn Ver. 2.1	
<210> 1	
<211> 1294	
<212> DNA <213> Plodia interpunctella	25
110414 Interpuncteria	
<220>	
<221> CDS <222> (25)(1089)	30
(23)(1003)	
<400> 1	
tcaagtgtca gaaaagcagc agca atg gtg gac gcc gct acc ctt gag aaa	. 51 35
Met Val Asp Ala Ala Thr Leu Glu Lys 1 5	
ttg gag get gge tte age aag ett gee gee tee gae tea aag teg et	g 99 <sup>40</sup>
Leu Glu Ala Gly Phe Ser Lys Leu Ala Ala Ser Asp Ser Lys Ser Le 10 15 20 2	
•	45
ctg aag aaa tac ctc acc agg gag gta ttt gat gct ctc aag aac aa	α 147
Leu Lys Lys Tyr Leu Thr Arg Glu Val Phe Asp Ala Leu Lys Asn Ly. 30 35 40	5
10	50
ag acc to ttt ggt to act oto otg gat tot atc cag to ggt gt	t 195
Lys Thr Ser Phe Gly Ser Thr Leu Leu Asp Ser Ile Gln Ser Gly Va. 45 50 55	L
45	55
gag aac tta cat tog ggt gtt gga att tat god coa gat got gag god	243
Glu Asn Leu His Ser Gly Val Gly Ile Tyr Ala Pro Asp Ala Glu Ala 60 65 70	1
. 33	60
at gta gta ttt gca gac ttg ttc gac eec atc att gaa gat tac cac	291
Tyr Val Val Phe Ala Asp Leu Phe Asp Pro Ile Ile Glu Asp Tyr His	65

	aat	gg	c tt	c aaq	g aaa	acc	gac	aaq	cac	cct	ccc	: aaç	aad	t tg	g gga	gat	339
																/ Asp	
5	90					95					100				•	105	
3																	
	gtt	gaç	gac	cto	ggg	aac	ttg	gat	cct	gct	: ggt	gaa	ttt	: ati	ato	tcc	387
																Ser	
10					110			-		115					120		
	acc	: cgt	gto	c cgc	: tgc	ggt	cgc	tcc	atq	gaa	σσο	tac	CC	tto	: aac	ccc	435
	Thr	Arc	y Val	L Arg	Cys	Gly	Arg	Ser	Met	Glu	Glv	Tvr	Pro	Phe	Asn	Pro	400
15				125		_	-		130		1	-3-		135			
	tgo	tta	aca	a gag	gee	caa	tac	aaq	gaa	ato	gaa	gag	aaa	ato	tee	tee	483
••									Glu								403
20			140				•	145					150			561	
													100				
	aca	cto	: tcc	ggc	ctc	qaq	ggt	gaa	ctg	aaa	ggc	acc	ttt	ttc	cca	ctc	531
25	Thr	Leu	Ser	Gly	Leu	Glu	Glv	Glu	Leu	Lvs	Glv	Thr	Phe	Phe	Pro	Lou	221
		155		-			160		•	-1-	,	165		÷0	120	Ten	
												•					
	aca	ggc	atg	tcc	aag	gag	act	caa	caa	cag	tta	att	gat	rac	Cac	ttc	579
30									Gln								3/9
	170				_	175					180			p		185	
																103	
25	ctg	ttc	aag	gag	ggt	gat	cac	ttc	ct¢	cag	gec	act	220	act	tac	000	627
35	Leu	Phe	Lys	Glu	Gly	Asp	Ara	Phe	Leu	Gln	Ala	Ala	Asn	212	Cue	y~~	021
					190	-		*		195			11511	TTG	200	urd	
															200		-
10	ttc	tgg	CC¢	tcc	ggt	cgt	ggc	atc	tac	cac	aat	gao	aac	aad	act	ttc	675
	Phe	Trp	Pro	Ser	Gly	Arg	Gly	Ile	Tyr	His	Asn	Glu	Asn	Lvs	Thr	Phe	0,5
				205	_	-	-		210					215	****		
15	ctg	gta	tgg	tgc	aat	gag	gag	gac	cac	ctc	cat	cta	atc	tcc	atα	Caa	723
	Leu	Val	Trp	Суз	Asn	Glu	Glu	Asp	His	Leu	Ara	Leu	Ile	Ser	Met	Gln	123
			220					225					230			<b>U</b> 111	
0																	
	atg	ggc	ggc	gac	ctg	aag	cag	gtg	tac	aag	agg	cta	ata	аσσ	ааа	ata	771
	Met	Gly	Gly	Asp	Leu	Lys	Gln	Val	Tyr	Lys	Arg	Leu	Val	Ara	Glv	Val	• • •
		235					240		_	-	-	245		,	2		
5																	
	aac	gaç	atc	gcg	aag	agg	atc	cca	ttc	tcg	cac	aac	gag	caa	cta	αας	819
	Asn	Asp	Ile	Ala	Lys .	Arg	Ile	Pro	Phe	Ser	His	Asn	Glu	Ara	Leu	Glv	
	250					255					260		_	9		265	
0																	
	ttc	ctg	act	ttc	tgc	CCC	acc	aac	ctg	gge	aca	acg	gta	cqc	qca	tca	867
	Phe	Leu	Thr	Phe	Суз	Pro '	Thr .	Asn	Leu (	Sly	Thr	Thr	Val	Arg	Ala	Ser	- <del>-</del> -
										-							
,																	

270	275	280	
gtg cac atc aag ctg Val His Ile Lys Leu 285	ccc aag ctg gcg gcc Pro Lys Leu Ala Ala 290	gac aag gcc aag ctg gag Asp Lys Ala Lys Leu Glu 295	915
gag gtg gcc agc aag Glu Val Ala Ser Lys 300	tac cac ctg cag gtg Tyr His Leu Gln Val 305	ege gge ace ege gge gag Arg Gly Thr Arg Gly Glu 310	963
cac acg gag gcc gag ( His Thr Glu Ala Glu ( 315	ggc ggc gtc tac gac Gly Gly Val Tyr Asp 320	atc tcc aac aag agg cgc Ile Ser Asn Lys Arg Arg 325	1011
Met Gly Leu Thr Glu 1	tac gaa gcc gtc aag Tyr Glu Ala Val Lys 335	gag atg tac gac ggc atc Glu Met Tyr Asp Gly Ile 340 345	1059
gct gaa ctg atc aaa a Ala Glu Leu Ile Lys I 350	atc gag aaa tcc ctg Ile Glu Lys Ser Leu 355	taagatgttt aacgatctcg	110'9
cgctatcagt attttttgta	ttatttatcg ttttcac	cata agtattggat gtgaaggggo	
		gca cgcgggcggc ccactatact	
aaaaa			1294
<210> 2 <211> 355 <212> PRT			45
<213> Plodia interpund <400> 2			.50
. 5	10	Glu Ala Gly Phe Ser Lys 15	55
20	25	Lys Lys Tyr Leu Thr Arg 30 Thr Ser Phe Gly Ser Thr	60
35	40	45 asn Leu His Ser Gly Val	65

	G1 6	y Il 5	e T	yr 1	<b>l</b> a	Pro	As 7		a Gl	u Al	а Ту	r Va 7		l Ph	e Al	a As	p Lev
5		e As	p Pı	ro 1	le	11e		u As	p Ty	r Hi		n Gl 0	y Ph	e Ly	s Ly	s Th	r Asp 5
10	Lys	s Hi	s Pr		Pro .00	Lys	Ası	n Tr	p Gl	y As 10		l Gl	u Thi	r Le	u Gl 11		n Leu
15	Asp	Pr	o Al 11		ly	Glu	Phe	e Va	l Va 12		r Th	r Ar	y Val	12!		s Gl	y Arg
20	Ser	130	E 61	u G	ly	Tyr	Pro	Pho 13		n Pro	o Cys	s Lei	Thr 140		ı Ala	a Gli	n Tyr
25	Lys 145	Glu	ı Me	t G	lu	Glu	Lys 150		l Se	r Sei	r Thi	r Let 155		Gly	/ Let	ı Glu	Gly 160
	Glu	Leu	ı Ly	s G	ly	Thr 165	Phe	Phe	e Pro	Let	170		Met	Ser	Lys	3 Glu 175	Thr
30	Gln	Gln	Gl	n Le	eu 80	Ile	Asp	Asp	Hi:	Phe 185		Phe	Lys	Glu	Gly 190		Arg
35	Phe	Leu	G1: 195	a Al	La	Ala	Asn	Ala	Cys		Phe	Trp	Pro	Ser 205		' Arg	Gly
40	Ile	Tyr 210	His	3 As	n	Glu	Asn	Lys 215		Phe	Leu	Val	Trp 220	Cys	Asn	Glu	Glu
15	Asp 225	His	Leu	ı Ar	g :	Leu	Ile 230	Ser	Met	Gln	Met	Gly 235	Gly	Asp	Leu	Lys	Gln 240
ю	Val	Tyr	Lys	Ar	g i	Leu 245	Val	Arg	Gly	Val	Asn 250	Asp	Ile	Ala	Lys	Arg 255	Ile
	Pro	Phe	Ser	Hi 26	s ? O	Asn	Glu	Arg	Leu	Gly 265	Phe	Leu	Thr	Phe	Cys 270	Pro	Thr
5	Asn	Leu	Gly 275	Th	r 1	fhr	Val	Arg	Ala 280	Ser	Val	His	Ile	Lys 285	Leu	Pro	Lys
0	Leu	Ala 290	Ala	Asį	ρI	ys .		Lys 295	Leu	Glu	Glu	Val	Ala 300	Ser	Lys	Tyr	His
5	Leu 305	Gln	Val	Arg	g G		Thr 310	Arg	Gly	Glu	His	Thr 315	Glu	Ala	Glu	Gly	Gly 320

Va	1 T)	yr F	Asp	Il	e \$e 32		in Ly	/5 A1	rg Ai		et Gi 30	ly Le	eu Ti	nr G		yr ( 35	Glu			
Al	a Va	al I	ys	G1: 34(	u Me O	t Ty	'r As	p Gl	ly II 34		la G1	tu Le	u I	le Ly 35		le (	Glu			
Lys	S Se		eu 55																	1
<21	.0>	3																		1:
<21 <21	.1>	109 DNA								·										
		Plo	dia	in	terp	ounc	tell	a												20
	0> 1> ( 2>		) (	(88	5)															25
<40	0> 3	3																		
aca	ggad	cagt	aç	jac:	acac	aa a	igeca	iccad				cg at La IJ						54		30
cag Gln	gcg Ala	ı Me	g a t L	ag ys	ctg Leu	gag Glu	Lys	Asp	aac Asr	gct Ala	ttg Lev	gac Asp 20	Arg	gct Ala	geo Ala	at Me	tg et	102	2	35
tgc Cys 25	gag Glu	ca Gl	g c n G	ag ln	gcc Ala	aag Lys 30	Asp	gcc Ala	aac Asn	cto Leu	cgt Arg 35	gct Ala	gag Glu	aag Lys	geo Ala	G1	ig lu l0	150		40
gag Glu	gag Glu	gc:	c aq	ga	caa Gln 45	ttg Leu	cag Gln	Lys	Lys	atc Ile 50	Gln	acg Thr	att Ile	gag Glu	aac Asn S5	As	it p	198		45
tg Leu	gac Asp	ca Gl:	g ac	eg ar '	cag Gln	gag Glu	gcg Ala	ctc	atg	cag	gtc	aac Asn	gcc	aag	cta	αa	a	246		io
			6	50					65	<b>U</b> 2	vul	**311	ALG	70	ren	GT.	u		5	5
jag Slu	aaa Lys	gard Glu 75	ı Ly	ıa (	gct Ala	ctt Leu	cag Gln	aac Asn 80	gct Ala	gag Glu	tcc Ser	gaa Glu	gtc Val 85	gct Ala	gcc Ala	ct: Le:	c u	294	66	o
ac :	ega Arg	cgt Arç	at Il	.e (	caa Gln	ctg Leu	ctg Leu	gaa Glu	gag Glu	gac Asp	ctc Leu	gag Glu	agg Arg	tcc Ser	gag Glu	gaq Glu	a a	342		
	•																		65	i

Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Asp Glu Leu Val Ala Glu Lys 250 255 260  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu 265 270 275 280			91	J				95	•		•		100	)				
105 110 115 120  gat gag tcg gaa cgt gcc cgc aag gtg ctc gag aac agg tca ttg gcc Asp Glu Ser Glu Arg Ala Arg Lys Val Leu Glu Asn Arg Ser Leu Ala 125 130 135  gat gaa gag cgt atg gac gct ttg gag aac cag ctg aag gaa gcc agg Asp Glu Glu Arg Met Asp Ala Leu Glu Asn Gln Leu Lys Glu Ala Arg 140 145 150 150  ttc ctt gct gag gaa gcc gac aag aaa tac gat gag gtt gct cgt aag Phe Leu Ala Glu Glu Ala Asp Lys Lys Tyr Asp Glu Val Ala Arg Lys 165 160 160 170 180  tcc ggc atg gtt gag gct gac ctg gag cgc gcg gag gag cgt gcc gaa Leu Ala Met Val Glu Ala Asp Leu Glu Arg Ala Glu Glu Arg Ala Glu 170 175 180  tcc ggc gaa tcc aaa atc gtc gag ctt gag gaa gac ctg cgc gtg gtg gtt Ser Gly Glu Ser Lys Ile Val Glu Leu Glu Glu Glu Leu Arg Val Val 185 190 195  ggc aac aac ttg aaa tcc ctg gaa gtc tcc gag gag aag gcc aac caa Gly Asn Asn Leu Lys Ser Leu Glu Val Ser Gly Glu Leu Lys Ser Leu Glu Val Ser Gly Glu Leu Lys Ser Leu Glu Val Ser Gly Glu Lys Ala Asn Gln 205  ggc aac aac ttg aaa tcc ctg gaa gtc tcc gag gag aag gcc aac caa Gly Asn Asn Leu Lys Ser Leu Glu Val Ser Glu Glu Lys Ala Asn Gln 205  cgt gag gag gag tac aaa aat cag atc aaa acc ctc acc acc cgc cta Arg Glu Glu Glu Glu Tyr Lys Asn Gln Ile Lys Thr Leu Thr Thr Arg Leu 225 230  aag gag gag gct gag gcc cgc gag cgt tcc gag cgt cgc cgc gag aag ccc aac cac cgc cta Arg Glu Ala Glu Ala Arg Ala Glu Phe Ala Glu Arg Ser Val Gln Lys 245  ctg caa aag gag gct gac aag ct gaa ctg gtg gct gag aag ccc cac ccc ccc ccc ccc ccc ccc	5																	390
gat gag tcg gaa cgt gcc cgc aag gtg ctc gag aac agg tca ttg gct Asp Glu Ser Glu Arg Ala Arg Lys Val Leu Glu Asn Arg Ser Leu Ala 125 130 135 135 135 135 135 135 135 135 135 135				ı Ala	a Thi	r Ala			Lys	s Leu	Ser			Ser	Gln	Ala		
15 gat gaa gag cgt atg gac gct ttg gag aac cag ctg aag gaa gcc agg Asp Glu Glu Arg Met Asp Ala Leu Glu Asn Gln Leu Lys Glu Ala Arg 140 145 150  20 ttc ctt gct gag gaa gcc gac aag aaa tac gat gag gtt gct cgt aag Phe Leu Ala Glu Glu Ala Asp Lys Lys Tyr Asp Glu Val Ala Arg Lys 165 165  25 ctg gcc atg gtt gag gct gac ctg gag cgc gcg gag gag cgt gcc gaa Leu Ala Met Val Glu Ala Asp Leu Glu Arg Ala Glu Glu Arg Ala Glu Glu Arg Ala Glu Glu Arg Ala Glu Ser Lys 11e Val Glu Leu Glu Glu Glu Leu Arg Val Val Ser Gly Glu Ser Lys 11e Val Glu Ceu Glu Glu Glu Leu Arg Val Val 185 185 190 195 200  26 ggc aac aac ac ttg aaa tcc ctg gaa gtc tcc gag gag gag ag gcc ac caa Gal Gly Asn Asn Leu Lys Ser Leu Glu Val Ser Glu Glu Lys Ala Asn Gln 205 215  27 cgt gag gag gag tac aaa act cag at caa acc ctc acc acc cgc cta Arg Glu Glu Glu Lys Ala Asn Gln 225 225 230  28 aag gag gct gag gcc cgc gct gag ttc gcc gag ctt gcc gag ctt gcc gcg gtg gtc gcg gag gag aag gcc aac caa acc ctc acc acc cgc cta Arg Glu Glu Glu Glu Glu Tyr Lys Asn Gln Ile Lys Thr Leu Thr Thr Arg Leu 220 225 230  28 ctg caa aag gag gcc cgc gct gag ttc gcc gag cgt tcc gtg cag aaa Lys Glu Ala Glu Ala Arg Ala Glu Phe Ala Glu Arg Ser Val Gln Lys 235 240 245  29 ctg caa aag gag gcc gac agg ctt gaa gac ctg gcc gct gag aag Ctc ccc tcc gag aag Ctc ccc ccc ccc ccc ccc ccc ccc ccc ccc	10					Arg	, Ala				Leu	Gli				Leu	Ala	438
Asp Glu Glu Arg Met Asp Ala Leu Glu Asn Gln Leu Lys Glu Ala Arg 140	15																	
ttc ctt gct gag gaa gcc gac aag aaa tac gat gag gtt gct cgt aag Phe Leu Ala Glu Glu Ala Asp Lys Lys Tyr Asp Glu Val Ala Arg Lys 155					a Arg	Met				ı Glu	Asn				Glu	Ala		486
Phe   Leu   Ala   Glu   Glu   Ala   Asp   Lys   Lys   Tyr   Asp   Glu   Val   Ala   Arg   Lys	20	•••																
ctg         gcc         atg         gtt         gag         gct         gac         ctg         gag         cgc         gag         gag <td></td> <td></td> <td></td> <td>Ala</td> <td>Glu</td> <td></td> <td></td> <td></td> <td>Lys</td> <td>Lys</td> <td></td> <td></td> <td></td> <td>Val</td> <td></td> <td></td> <td></td> <td>534</td>				Ala	Glu				Lys	Lys				Val				534
Leu Ala Met Val Glu Ala Asp Leu Glu Arg Ala Glu Glu Arg Ala Glu  170	25								100					103				
tcc ggc gaa tcc aaa atc gtc gag ctt gag gaa gaa ctg cgc gtg gtt Ser Gly Glu Ser Lys Ile Val Glu Leu Glu Glu Glu Leu Arg Val Val 185 190 195 200  ggc aac aac ttg aaa tcc ctg gaa gtc tcc gag gag aag gcc aac caa Gly Asn Asn Leu Lys Ser Leu Glu Val Ser Glu Glu Lys Ala Asn Gln 205 210 215  cgt gag gag gag tac aaa aat cag atc aaa acc ctc acc acc cgc cta Arg Glu Glu Glu Tyr Lys Asn Gln Ile Lys Thr Leu Thr Thr Arg Leu 220 225 230  aag gag gct gag gcc cgc gct gag ttc gcc gag cgt tcc gtg cag aaa Lys Glu Ala Glu Ala Arg Ala Glu Phe Ala Glu Arg Ser Val Gln Lys 235 240 245  ctg caa aag gag gtc gac agg ctt gaa gac gaa ctg gtg gct gag aag Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Aap Glu Leu Val Ala Glu Lys 250 255 260  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu 260 270 275 280	20	ctg Leu	Ala	Met	gtt Val	gag Glu	gct Ala	Asp	ctg Leu	gag Glu	cgc Arg	gcg Ala	Glu	gag Glu	cgt Arg	gcc Ala	gaa Glu	582
Ser Gly Glu Ser Lys Ile Val Glu Leu Glu Glu Glu Leu Arg Val Val 190	30		1,0					1/3					180					
ggc aac aac ttg aaa tcc ctg gaa gtc tcc gag gag aag gcc aac caa Gly Asn Asn Leu Lys Ser Leu Glu Val Ser Glu Glu Lys Ala Asn Gln 215  cgt gag gag gag tac aaa aat cag atc aaa acc ctc acc acc cgc cta Arg Glu Glu Tyr Lys Asn Gln Ile Lys Thr Leu Thr Thr Arg Leu 220  aag gag gct gag gcc cgc gct gag ttc gcc gag cgt tcc gtg cag aaa Lys Glu Ala Glu Ala Arg Ala Glu Phe Ala Glu Arg Ser Val Gln Lys 235  ctg caa aag gag gtc gac agg ctt gaa gac gaa ctg gtg gct gag aag Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Asp Glu Leu Val Ala Glu Lys 250  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu 265  aac caa caa caa acc cac cac cac cac ca																		630
ggc aac aac ttg aaa tcc ctg gaa gtc tcc gag gag aag gcc aac caa Gly Asn Asn Leu Lys Ser Leu Glu Val Ser Glu Glu Lys Ala Asn Gln 205  cgt gag gag gag tac aaa aat cag atc aaa acc ctc acc acc cgc cta Arg Glu Glu Glu Tyr Lys Asn Gln Ile Lys Thr Leu Thr Thr Arg Leu 220  aag gag gct gag gcc cgc gct gag ttc gcc gag cgt tcc gtg cag aaa Lys Glu Ala Glu Ala Arg Ala Glu Phe Ala Glu Arg Ser Val Gln Lys 235  ctg caa aag gag gtc gac agg ctt gaa gac ga ctg gtg gct gag aag Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Asp Glu Leu Val Ala Glu Lys 250  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu 265  270  270  275  280	35		Gly	Glu	Ser	Lys		Val	Glu	Leu	Glu		Glu	Leu	Arg	Val		
Gly Asn Asn Leu Lys Ser Leu Glu Val Ser Glu Glu Lys Ala Asn Gln  205  cgt gag gag gag tac aaa aat cag atc aaa acc ctc acc acc cgc cta Arg Glu Glu Glu Tyr Lys Asn Gln Ile Lys Thr Leu Thr Thr Arg Leu  220  aag gag gct gag gcc cgc gct gag ttc gcc gag cgt tcc gtg cag aaa  Lys Glu Ala Glu Ala Arg Ala Glu Phe Ala Glu Arg Ser Val Gln Lys  235  ctg caa aag gag gtc gac agg ctt gaa gcc gaa ctg gtg gct gag aag  Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Asp Glu Leu Val Ala Glu Lys  250  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag  Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu  265  270  280							130					195					200	
cgt       gag       gag       gag       tac       aaa       aat       cag       atc       aaa       acc       ctc       acc       acc       cgc       cta         45       Arg       Glu       Glu       Tyr       Lys       Asn       Gln       Ile       Lys       Thr       Leu       Thr       Thr       Arg       Leu       Leu       Thr       Thr       Arg       Leu       Thr       Leu       Thr       Thr       Thr       Thr       Arg       Leu       Thr       Leu       Thr       Arg       Leu       Glu       Phe       Ala       Glu       Arg       Thr       Thr       Arg       Thr       Thr       Arg       Thr       Thr       Thr       Thr       Thr       Thr       Arg       Thr       Thr       Thr       Thr       Thr       Th		ggc	aac	aac	ttg	aaa	tçc	ctg	gaa	gtc	tcc	gag	gag	aag	gcc	aac	caa	678
Arg Glu Glu Glu Tyr Lys Asn Gln Ile Lys Thr Leu Thr Thr Arg Leu 220 225 230  aag gag gct gag gcc cgc gct gag ttc gcc gag cgt tcc gtg cag aaa Lys Glu Ala Glu Ala Arg Ala Glu Phe Ala Glu Arg Ser Val Gln Lys 235 245  ctg caa aag gag gtc gac agg ctt gaa gac gaa ctg gtg gct gag aag Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Asp Glu Leu Val Ala Glu Lys 250 255 260  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu 265 270 275 280	40	GIÀ	Asn	Asn	Leu		Ser	Leu	Glu	Val		Glu	Glu	Lys	Ala		Gln	
aag gag gct gag gcc cgc gct gag ttc gcc gag cgt tcc gtg cag aaa Lys Glu Ala Glu Ala Arg Ala Glu Phe Ala Glu Arg Ser Val Gln Lys 235  ctg caa aag gag gtc gac agg ctt gaa gac gaa ctg gtg gct gag aag Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Asp Glu Leu Val Ala Glu Lys 250  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu 265  225  226  2270  225  226  230  230  230  230  245  245  245  245  245  245  245  24		cgt	gag	gag	gag	tac	aaa	aat	cag	atc	aaa	acc	ctc	acc	acc	cgc	cta	726
Lys Glu Ala Glu Ala Arg Ala Glu Phe Ala Glu Arg Ser Val Gln Lys 235  ctg caa aag gag gtc gac agg ctt gaa gac gaa ctg gtg gct gag aag Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Asp Glu Leu Val Ala Glu Lys 250  255  260  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu 265  270  270  275  280	45	Arg	Glu	Glu		Tyr	Lys	Asn	Gln		Lys	Thr	Leu	Thr		Arg	Leu	
Lys Glu Ala Glu Ala Arg Ala Glu Phe Ala Glu Arg Ser Val Gln Lys 235  ctg caa aag gag gtc gac agg ctt gaa gac gaa ctg gtg gct gag aag Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Asp Glu Leu Val Ala Glu Lys 250  255  260  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu 265  270  270  275  280		aag	gag	gct	gag	gcc	cgc	gct	gag	ttc	gcc	gag	cgt	tcc	ata	саσ	aaa	774
Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Asp Glu Leu Val Ala Glu Lys 250 255 260  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu 265 270 275 280	50	ГÀЗ	Glu	Ala	Glu	Ala	Arg	Ala	Glu	Phe	Ala	Glu	Arg	Ser	Val	Gln	Lys	
Leu Gln Lys Glu Val Asp Arg Leu Glu Asp Glu Leu Val Ala Glu Lys 250 255 260  gag aaa tac aaa gat att ggt gac gac ctg gac acc ccc ttc gtc gag Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu 265 270 275 280		ctg	caa	aag	gag	gtc	gac	agg	ctt	gaa	gac	σaa	cta	ata	act	nan	aao	822
Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu .  265 270 275 280	55	Leu	Gln	Lys	Glu	Val	Asp	Arg	Leu	Glu	Asp	Glu	Leu	Val	Ala	Glu	Lys	022
Glu Lys Tyr Lys Asp Ile Gly Asp Asp Leu Asp Thr Pro Phe Val Glu .  265 270 275 280	io	gag	aaa	tac	aaa	gat	att	ggt	gac	gac	ctg	gac	acc	CCC	ttc	atc	σασ	870
273 280		Glu	Lys	Tyr	Lys	Asp	Ile	Gly	Asp	Asp	Leu	Asp	Thr	Pro	Phe	Val	Glu	
s etc atc etc aag gaa taaacteete aegttggtea eetgggeetg teccatgegg		265					270					275					280	
The Third The Control of the Control	5	ctc	atc	ctc	aag -	gaa	taaa	ctcc	te a	cgtt	ggtc	a co	tggg	cctg	tcc	catg	cgg	925

ggo	agac	сса	cggg	tcat	te	aaga	cgcg	ıg ct	cttc	cgcc	ago	gatt	caa	cato	tgtaca	985	:	•
gat	gtta	tat	tcat	ttta	ita c	tcat	ttaa	a at	attt	aaat	cta	tagt	ttt	atgg	cggtat	1045	•	
tta	tttt	cga	gtaa	tata	at a	aata	attt	a tt	actt	attt	aaa	aaaa	ı			1092	10	C
<21 <21	0> 4 1> 2 2> P 3> P	85 RT	a in	terp	unct	ella											15	5
	0> 4																20	)
Met 1	Asp	Ala	Ile	Lys 5		Lys	Met	Gln	Ala 10		Lys	Leu	Glu	Lys 15	-			
Asn	Ala	Leu	Asp 20		Ala	Ala	Met	Cys 25		Gln	Gln	Ala	Lys 30	-	Ala		25	i
Asn	Leu	Arg 35	Ala	Glu	Lys	Ala	Glu 40	Glu	Glu	Ala	Arg	Gln 45		Gln	Lys		30	,
Lys	Ile 50	Gln	Thr	Ile	Glu	Asn 55	Asp	Leu	Asp	Gln	Thr 60	Gln	Glu	Ala	Leu		35	
Met 65	Gln	Val	Asn	Ala	Lys 70	Leu	Glu	Glu	Lys	Glu 75	Lys	Ala	Leu	Gln	Asn 80		40	
Ala	Glu	Ser	Glu	Val 85	Ala	Ala	Leu	Asn	Arg 90	Arg	Ile	Gln	Leu	Leu 95	Glu		45	
Glu	Asp	Leu	Glu 100	Arg	Ser	Glu	Glu	Arg 105	Leu	Ala	Thr	Ala	Thr 110	Ala	Lys		*	
Leu	Ser	Glu 115	Ala	Ser	Gln	Ala	Ala 120	Asp	Glu	Ser		Arg 125	Ala	Arg	Lys		50	
Val	Leu 130	Glu	Asn	Arg	Ser	Leu 135	Ala	Asp	Glu	Glu	Arg 140	Met	Asp	Ala	Leu		55	
Glu 145 <sub>.</sub>	Asn	Gln	Leu	Lys	Glข 150	Ala	Arg	Phe	Leu	Ala 155	Glu	Glu	Ala	Asp	Lys 160		60	
Lys	Tyr	Asp	Glu	Val 165	Ala	Arg	Lys	Leu	Ala 170	Met	Val	Glu	Ala	Asp 175	Leu		48	

	Gl	u Ar	g Al	a Glu 180		Arg	, Ala	Glu	Ser 185	Gly	Glu	Ser	Lys	Ile 190		Glu	
5	Lei	ı Gl	ս Gl 19	u Glu 5	Leu	Arg	Val	Val 200	Gly	Asn	Asn	Leu	Lys 205	Ser	Leu	Glu	
10	Val	l Se:		u Glu	Lys	Ala	Asn 215		Arg	Glu	Glu	Glu 220	Tyr	Lys	Asn	Gln	
15	11e 225		s Th	r Leu	Thr	Thr 230		Leu	Lys	Glu	Ala 235	Glu	Ala	Arg	Ala	Glu 240	
20	Ph∈	Ala	a Gl	u Arg	Ser 245	Val	Gln	Lys	Leu	Gln 250	Lys	Glu	Val	Asp	Arg 255	Leu	
25	Glu	Asp	Gl:	260		Ala	Glu	Lys	Glu 265	Lys	Tyr	Lys	Asp	Ile 270	Gly	Asp	
	Asp	Leu	275	Thr	Pro	Phe	Val	Glu 280	Leu	Ile	Leu	Lys	Glu 285				
30																	
35	<21 <21	0> 5 1> 2 2> D 3> P	230 NA	a in	terpu	ıncte	ella										
40		1> C		. (212	27)												
45		0> 5 gggt	gga	cg at	g aa	q ac	t at	c ct	o at	c tt	a oc	t aa	c ct	c at	a ac	c ctg	<b>5</b> 1
50				Ме	t Ly 1	s Th	r Va	l Le	u Il 5	e Le	u Al	a Gl	y Le	u Va	1 Al	a Leu	<b>J1</b>
55	gcc Ala	gcg Ala 15	ggc	aac Asn	acc Thr	ttc Phe	ccg Pro 20	gta Val	ttc   Phe	aga   Arg	tat ( Tyr i	gac Asp   25	cac (	gtc ( Val (	gaa Glu	act Thr	99
50	aga Arg 30	aaa Lys	ttg Leu	gaa Glu	gga Gly	gac Asp 35	ctt : Leu :	tta Leu (	cag ( Gln (	tac ( Tyr (	cag ( Gln ( 40	cg a	aaa ( Lys )	ttt ( Phe 1	ctg Leu :	tct Ser 45	147
iS.	ctt Leu	ctt Leu	gag Glu	aat Asn	gtg Val 50	aga ( Arg (	cag a	att ( Ile i	gac ( Asp 1	ac q Tyr (	gaa q Glu <i>l</i>	gcg (	gag t Slu 1	ac i	tac : Tyr :	aaa Lys	195

	aag Lys						Ser					Ser		243	
	gca Ala				Ala					Ile	Gly			291	5
	80				85					90					10
	gct Ala													339	15
	att Ile												Thr	387	20
ttc	aag Lys		gcc					tat						435	
		130					135					140			25
	tat Tyr													483	30
	gtc Val 160													531	35
	tat T <i>yr</i>													579	40
Ile	aat Asn		Val					Gly						627	45
190 aat Asn														675	50
	 -,,-	210	- , _	• 1-	A311	-71	215	usti	FLU	nea	Int	220	Arg		55
aat Asn	Glu													723	33
tct Ser														771	60
	240				245					250	_	-	<u> </u>		65

	ga	ig g	ac	ttt	at	t gg	t at	c tt	c aa	g ga	a cg	c cg	it go	ia da	a tt	c t	ac	tac	819
	Gl	u A	.sp	Phe	<b>I</b> 10	e Gl	y Il	e Pho	e Ly:	s GI	ı Ar	g Ar	a G1	lv GI	u Ph	e T	ur	Tur	013
		2	55					260				-	26				<i>z</i> –	-3-	
5	)													_					
	ta	c t	tc	tat	cag	g ca	a cto	: ttd	r tci	ca1	t ta	c ta	e et	t as	מ רח	r <b>t</b> ti	٠,	ant	0.57
	Ту	r P	he	Tyr	Gli	ı Gl	n Lei	Lei د	ı Sei	Arc	Tv	r Tv	r Le	n Gl	n Ar	~ T		agt Com	867
10	77	0					275				, - <u>,</u>	28			u ni	g D	-u		
													•					285	
	aa	t g	gc	ttg	gga	gaa	att	. cca	gat	: tto	: tei	t ta	n ta	c ca	2 00	+ ~•	- ~		015
	As	n G	ly :	Leu	Gly	/ Gl:	ı Ile	Pro	Asc	) Phe	Se	r Tr	ጋ ሀር ከ ጥላ	× 61	a cc	- 1-	-9	agg	915
15					_	290			1106		29		p .y	1 91	11 ET			Arg	
											~ /.	•				30	,,,		
	agi	t g	at 1	tac	tat	CCa	gct	ata	tat	. 200		. +0			<b>-</b>				
	Se	r G.	lv :	ľvr	Tvr	Pro	Ala	Tle	Tur	The	e So		a gc	c ta	- 2-	9 66	τ	gct	963
20			•		305		,,,,,		192	310		. 36.	r AI	a ry			ıe	Ala	
										310			•		31.	5			
	caa	1 C	ıt c	200	aac	tat	tat	tac	ato		201								
25	Glr	ı Aı	a E	Pro	Asn	Tur	Tyr	Tur	Mot	99a	מטני	. gad	a gad	a aa	gti	t ga	C	tac _	1011
-			3	320		- 7 -	-1-	131	325	GIY	THE	GIL	I GII			L As	р	Tyr	
									223					330	,				
	ato	: ca	a t	ta	ctt	gat	gct	caa	~==	226									
30	Ile	: G1	n F	he	Leu	Asn	Ala	Gin	Glu	aay	age		gra	g caa	tt:	: ct	g	cag	1059
		33	5				me	340	GIU	тÃа	Ser	Pne			1 Phe	e Le	u (	Gln	
			-					340					345	•					
	att	aa	cc	aπ	ttt	аап	gca	+++	222	•••									
55	Ile	G1	v G	ln	Phe	T.ve	Als	Pho	7	Caa	gat	gta	gac	ttc	: cgc	aa	C 1	tcc	1107
	350		•			-,5	Ala 355	FIIE	пуз	GIN	Asp			Pne	Arg	Ası			
							333					360					•	365	
0	aag	tc	a a	ta	aac	ttt	gtt	aac	220	+++	+								
•	Lys	Se	r I	le :	Asn	Phe	Val	Glv	Asn	Pho	Two	Cla	994	aac	ccg	gad	2 (	etg	1155
	_					370		Cry	non	rii¢.	375	GIII	GTÅ	ASN	Pro			Leu	
											3/3					380	)		
5	tac	qa	t aa	ag :	tac	Gga	aaa	<b>722</b>	ata										
	Tyr	Ası	L	rs Vs '	Tvr	Glv	agg Arg	Glu	yca Val	aac	Tat	gac	gac	TCC	tac	gaa	aa	itc	1203
	_		•		385	,	9	010	<b>V</b> G1	390	TYE	Asp	Asp	Ser		Glu	1 I	le	
										390					395				
)	atc	gct	: c	7C (	cαc	ata	ctt	ant.	act	act									
	Ile	Ala	ı Aı	ra l	Ara	Val	ctt Leu	Glu	Ala Ala	31-	CCL	ccg	acc	tcc	gac	aat	t	ac	1251
			40	00	5		Leu	GLY	405	ALG	PIO	Pro	Thr		Asp	Asn	T	yr	
			-	-					400					410					
•	qaa	tto	: at	:a c	ca	tct	act	at a		<b></b> -									
	Glu	Phe	Va	ים. ווי	220	60-	gct	CLG Tan	gac	LLC	tac 	cag	act	tca	ctt	cgt	g	at	1299
		415				Ser	Ala		qea	Phe	Tyr	Gln		Ser	Leu	Arg	A	sp	
, .		- ~ ~						420					425						
	ccc	acc	<b>+.</b> +	· c +	. a.c	a+~	050	<b>.</b>											
	Pro	Ala	Ph	e T	ur i	acy Mo+	ctc	udt	aac .	aag	atc	atg	agc	tac	att	gta	C	ag	1347
	430		- • •	- 1	7-	.16	Leu '	rAL	нап .	ьуз			Ser	Tyr	Ile	Val	G.	ln	
							435					440					4	45	

			tgg Trp		Glu					Glu					Ser	1395	S
			atc Ile 465						Gly					Phe		1443	10
			gac Asp										Ser	-		1491	15
			caa Gln													1539	20
			cct Pro													1587	25
			tac Tyr													1635	30
			ctt Leu 545													1683	35
			acc Thr													1731	40
aaa Lys	tct Ser 575	gag Glu	gaa Glu	ttc Phe	ttc Phe	ttc Phe 580	ttt Phe	aaa Lys	gag Glu	gac Asp	tcc Ser 585	gtc Val	tca Ser	atg Met	tct Ser	1779	45
aag Lys 590	atc Ile	tat Tyr	gaa Glu	ctc Leu	ctg Leu 595	aaa Lys	cag Gln	ggc Gly	cag Gln	gta Val 600	cct Pro	gaa Glu	agc Ser	atg Met	tcc Ser 605	1827	so
gaa Glu			qeA													1875	55
ccg Pro		Gly														1923	60
																	~

5	Ala	Leu	Ser 640	Lys	gac Asp	cta Leu	gag Glu	gct Ala 645	Met	aag Lys	aat Asn	atc Ile	atc Ile 650	ctt	ga: Ası	c aac o Asn	1971
10	Lys	ect Pro 655	ttg Leu	ggc Gly	tat Tyr	cca Pro	ttt Phe 660	gac Asp	cgt Arg	cct Pro	gtc Val	gag Glu 665	tac Tyr	ccg	tai Tyi	t ctc	2019
15	Phe	tta Leu	caa Gln	cct Pro	aat Asn	atg Met 675	tac Tyr	ttt Phe	gaa Glu	gac Asp	gtc Val 680	aat Asn	atc Ile	tac Tyr	Cac	aga Arg 685	2067
20																gaa Glu	2115
25	gta Val	cct Pro	aga Arg	caa Gln 705	taaa	ıggaç	jag a	ıgaa	agagt	t ct	tgaa	ccaa	aac	atti	taaa		2167
30	gcta aaa	agtaq	jaa c	acta	tagt	c ac	aata	aaat	: aaa	aatt	ttt	atag	taaa	aa a	aaaa	aaaaa	2227
35	<210	_															2230
40	<212	.> 70 :> PR	_											•			
	<213		odia	int	erpu	ncte	lla										
45	<400	> P1 > 6	odia					Ala	Gly :	Leu v	Val 1	Ala 1	Leu i	Ala	Ala 15	Gly	
45	<400 Met 1	> 6 -> 6	odia Thr	Val :	Leu 5	Ile :	Leu /		Gly : Asp :	10					15		
	<400 Met 1 Asn	> Pl > 6 Lys Thr	Odia Thr Phe Asp 35	Val : Pro ' 20 Leu ]	Leu 5 Val Leu (	Ile : Phe <i>i</i>	Leu ;	Fyr Gln 40	Asp   25 Ser 1	10 His V	/al (	Slu 7	Thr A Ger I 45	Arg 30 Leu	15 Lys Leu	Leu Glu	
50	<400 Met 1 Asn Glu	> Pl > 6 Lys Thr Gly 50	Odia Thr Phe Asp 35 Arg (	Val: Pro 9 20 Leu 1	Leu 5 Val Leu (	The Phe A	Leu Arg 'Tyr (	Fyr Gln 40	Asp   25 Ser   Ala (	10 His V Lys E	/al ( Phe I	Slu 7 Leu S 'yr I 60	Ger 1 45 ys \	Arg 30 Leu /al	15 Lys Leu Gly	Leu Glu Lys	
50	<400 Met 1 Asn	> Pl > 6 Lys Thr Gly 50	odia Thr Phe 35 Arg (	PPro 1 20 Leu 1 Le	5 Val :	Ile : Phe A Sln : Asp :	Arg '	Fyr de file (	Asp   25 Ser   Ala (	10 His V Lys E Glu T	Val ( Phe I Cyr T Cyr S 75	eu S 'yr I 60	Ger I 45 ys V	Arg 30 Leu Val	15 Lys Leu Gly	Leu Glu Lys Ala 80	

					8	5					90						95				
Ту	r Tl	hr P	he :	Ser 100	110	e Ph	е Ту	r As	ip Ar 10		ln	Arg	Gl	u Gl		la 1 10	ys	Ile	•		
Il	е Ту	/r A l	sp 1 15	Leu	Phe	э Ту	r Se	r Al 12		/s A	gz	Leu	Ası	p Th 12		he T	'yr	Lys			
Th	r Va 13	1 A	la 1	'yr	Gly	/ Ar	13:	е Ту 5	r Ph	e A	sn (	Glu	Ту: 14(		n Pl	ne M	et	Tyr			
Ala 145	a Ph	e Ty	yr A	la	Ala	11e	e Ile )	e Gl:	n Ar	g S		Asp 155	Thr	Th	r G]	ly I	le	Val 160			
					165		Leu			17	70					1	75				
			1	80			Arg		185	5					19	0					
		19	5				Tyr	200	)					205	5						
	210	,					Ser 215					:	220								
						230	Thr				2.	35					2	240			
				2	45		Met			250	)					25	5				•
			20	U			Arg		265						270	ı					
Gln		~,5	-					280					•	285		•					5
	230					,	295					3	00								5:
Tyr 305					,	310					31:	5					3;	20			60
Asn 1				32	:5					330						335					
Leu A	.op	utg	GIL	ı Gl	u L	ys S	Ser (	Phe	Val	Gln	Phe	⊋ Le	an C	ln	Ile	Gly	G1	.n			65

				34	0				345	5				35	0	
5	Ph:	e Ly	s Al 35		e Ly	s Glr	a Asp	7 Val		> Phe	e Ar	g Ası	n Se:		s Sei	c Il
10		n Ph 37	e Va O	1 G1	y As	n Phe	375		Gly	/ Asr	ı Pro	38(		ту:	c Asp	ь Гу
15	385		y Ar	g Gl	u Vai	1 Asn 390		Asp	Asp	Sei	Ty:		1 Ile	: Ile	e Ala	40
	Arg	y Va	l Le	u Gl	y Ala 405	a Ala	Pro	Pro	Thr	Ser 410		Asr	Tyr	Glu	Phe 415	
20	Pro	Se:	r Ala	a Lei 420		Phe	Tyr	Gln	Thr 425		Leu	a Arg	, Asp	Pro 430		Phe
25	Tyr	Met	: Let 435	Tyi	Asr	Lys	Ile	Met 440	Ser	Tyr	Ile	. Val	Gln 445		Lys	Glı
30	Trp	Let 450	Glı	Pro	Tyr	Asp	Gln 455	Glu	Val	Leu	His	Tyr 460		Gly	Val	Lys
35	·Ile 465	Asn	Asp	Val	Ser	Val 470	Gly	Asn	Leu	Thr	Thr 475		Phe	Glu	Tyr	Tyr 480
40	Asp	Phe	Asn	Ala	Thr 485	Asn	Ala	Val	Phe	Leu 490	Ser	Asp	Gln	Glu	Ile 495	Gln
	Gln	Gln	Tyr	Ser 500		Phe	Ile	Val	Arg 505	Gln	Pro	Arg	Leu	Asn 510	His	Glu
45	Pro	Phe	Ser 515	Val	Thr	Ile	Asp	Val 520	Lys	Ser	Asp	Val	Glu 525	Ala	Glu	Ala
50	Tyr	Phe 530	Lys	Ile	Phe	Val	Gly 535	Pro	Lys	Tyr	Asp	Gly 540	Glu	Gly	Arg	Pro
55	Leu 545	Ser	Leu	Glu	Asp	Asn 550	Trp	Met	Asn	Phe	Val 555	Glu	Leu	Asp	Trp	Phe 560
60	Thr	His	Lys	Leu	Thr 565	Ser	Gly	Gln		Lys 570	Val	Glu	Arg	Lys	Ser 575	Glu
	Glu	Phe	Phe	Phe 580	Phe	Lys	Glu .		Ser 585	Val	Ser	Met		Lys 590	Ile	Tyr
65	Glu	Leu	Leu	Lys	Gln	Gly	Gln '	Val :	Pro ·	Glu	Ser	Met	Ser	Glu	Asp	Tyr

595 600 605	
Asp Ser Met Pro Ser Arg Leu Met Leu Pro Arg Gly Thr Pro	Gly Gly
Phe Pro Val Gln Phe Phe Val Phe Val Tyr Pro Tyr Gln Ala 625 630 635	Leu Ser 640
Lys Asp Leu Glu Ala Met Lys Asn Ile Ile Leu Asp Asn Lys 645 650	655
Gly Tyr Pro Phe Asp Arg Pro Val Glu Tyr Pro Tyr Leu Phe 660 665 670	Leu Gln
Pro Asn Met Tyr Phe Glu Asp Val Asn Ile Tyr His Arg Gly 675 680 685	Pro Gln
Tyr Pro Trp Trp Ser Asn Gly Gln Phe Arg Leu Asn Glu Val 690 695 700	Pro Arg 25
Gln 705	30
<210> 7 <211> 1076	35
<212> DNA <213> Plodia interpunctella	40
<220> <221> CDS <222> (73)(834)	45
<400> 7 taactgttat tgctcagtga taatagatta gttattatat tgtcaagaag ct	coatacott 60
Egcaaaatca to atg aat tto goo ggt aaa gtt gta att gta acc Met Asn Phe Ala Gly Lys Val Val Ile Val Thr	: gat act 111
1 5 10	55
egc too ggt att gga gca gct aca gct gtg tto cta tog aaa c er Ser Gly Ile Gly Ala Ala Thr Ala Val Phe Leu Ser Lys L 15 20 25	ta ggc 159 eu Gly &
ct aag ctt tot otg acg gga cgt aac gto gag aat ott aag a la Lys Leu Ser Leu Thr Gly Arg Asn Val Glu Asn Leu Lys L 30 35	ys Val
35 40	45

	aç	gt c	ag c	gat	tgc	gaa	aa	a to	c a	cc c	ag	aça	a ca	c t	ac a	atc	gc	c g	cc	gac	255
:	S 6 5	er G	ln A	lsp	Cys	G1:	ı Ly	s Se	r T	hr G	ln	Thr 55	: Hi	s T	yr :	Ile	Al	a A	1a 50	Asp	
10	re	a a u Ti	cc a hr L	aa ys	gaa Glu 65	aaa Lys	ga: Asj	t at p Il	t ga e G]	lu A	at sn 70	ato Ile	gt Va	t aa l Ly	aa a /s \$	igc Ser	Th	r II	t	gat Asp	303
	aa Ly	a ta s Ty	YI G	тγ	caa	ctt Leu	gad Asp	gt Va	c ct l Le	g g	tc	aat Asn	aa Asi	t go	t g	gc ly	at:	ct	:t	gag Glu	351
15			;	80					8	5						90					
20	Th	7 61	.y So )5	er 1	lle	Glu	Asn	aca Thi	r Se	r Le	eu .	gcc Ala	Gl	у са n Ту 10	r A	ac sp	Arg	r tt r Le	a u i	atg Met	399
25	aat Asr 110	1 111	a aa r As	at g	tg al	cgc Arg	tca Ser 115	att Ile	tai	t ta	r l	tta Leu	acc Thr 120	: Me	g c t L	tg eu	gca Ala	gt: Va.	1 1	cca Pro L25	447
30	Cac His	ct Le	t ct u Le	c a u L	ys :	acc Thr 130	aaa Lys	ggt Gly	aac Asr	at 11	e V	rtg 'al .35	aat Asn	gta Val	a to	et er :	agt Ser	gto Val	LA	at Isn	495
35	ggg Gly	ato Ilo	c ag e Ar	y se	ct t er E	tc he	cct Pro	ggt Gly	gta Val	Ct Le	u A	ct la	tac Tyr	aat Asr	gt Va	1 5	tcg Ser 155	aag Lys	; t	ca	543
40	gct Ala	gta Va]	ga Ası 160	נט פו	ag t	tt 'he '	aca Thr	aga Arg	tgt Cys 165	gti Val	t g L A	ca (	ctt Leu	gaa Glu	tt Le 17	u A	gcc Ala	ccg Pro	a	aa ys	591
45	ggg Gly	gta Val 175	. TT	a gt g Va	t <sub>a</sub> l A	at 1 sn (	.ys	gtg Val 180	aat Asn	cca	g G	ga q ly V	gtc /al	att Ile 185	tt: Le:	g a	ca hr	gaa Glu	C.	tg eu	639
50	cag Gln 190	aag Lys	cgt Arg	gg Gl	g gg	ry I	tg eu :	aac Asn	gac Asp	cag Gln	G1	n T	at 'yr	gca Ala	gca Ala	a t	tt he	ctg Leu	ga G1 20	Lu	687
	aga Arg	acc Thr	aag Lys	ga Gl	g ac Th	ır H	at (	gcc Ala	ttg Leu	ggc Gly	cg Ar 21	g P	cg ro	gga Gly	aaa Lys	C C	ro (	gag Glu 220			735
60 65	gtt Val	gca Ala	gct Ala	act Thi		t g .e A	ct t la E	tc Phe	Leu	gcc Ala 230	ag Se	t g r G	aa : lu :	tta Leu	gca Ala	aç Se 23	gc a		at Il	c e	783

act gga gcc agt gtg cct gta gac ggt ggt cgc cat gcc atg tgt cca Thr Gly Ala Ser Val Pro Val Asp Gly Gly Arg His Ala Met Cys Pro 240 245 250	831
cga taattittit aataaaatac atgitaatti tiittitact attiacaatt Arg	884
tttcaatcca agcattttac aatgatcaaa gtgtctaaaa ccttttgaat attgtacaat	10 1944
aaaattttta tatattatag attaagtaaa aacgttcata tacctataat ttgtgtcata	1004 1:
tggatgtcca tgtgttcata tattttgtta taaccttgtt attttaaaat aaaaacaaat	: 1064
aataaaaaa aa	1076
<210> 8 <211> 254 <212> PRT <213> Plodia interpunctella	25
<pre>&lt;400&gt; 8 Met Asn Phe Ala Gly Lys Val Val Ile Val Thr Gly Ala Ser Ser Gly</pre>	<b>.</b>
Ile Gly Ala Ala Thr Ala Val Phe Leu Ser Lys Leu Gly Ala Lys Leu 20 25 30	35
Ger Leu Thr Gly Arg Asn Val Glu Asn Leu Lys Lys Val Ser Gln Asp 35 40 45	40
Cys Glu Lys Ser Thr Gln Thr His Tyr Ile Ala Ala Asp Leu Thr Lys 50 55 60	45
Glu Lys Asp Ile Glu Asn Ile Val Lys Ser Thr Ile Asp Lys Tyr Gly 65 70 75 80	50
In Leu Asp Val Leu Val Asn Asn Ala Gly Ile Leu Glu Thr Gly Ser 85 90 95	
le Glu Asn Thr Ser Leu Ala Gln Tyr Asp Arg Leu Met Asn Thr Asn 100 105 110	SS
al Arg Ser Ile Tyr Tyr Leu Thr Met Leu Ala Val Pro His Leu Leu 115 120 125	60
ys Thr Lys Gly Asn Ile Val Asn Val Ser Ser Val Asn Gly Ile Arg	65

130

. 135 140 Ser Phe Pro Gly Val Leu Ala Tyr Asn Val Ser Lys Ser Ala Val Asp 145 150 160 Gln Phe Thr Arg Cys Val Ala Leu Glu Leu Ala Pro Lys Gly Val Arg 170 Val Asn Cys Val Asn Pro Gly Val Ile Leu Thr Glu Leu Gln Lys Arg 15 185 Gly Gly Leu Asn Asp Gln Gln Tyr Ala Ala Phe Leu Glu Arg Thr Lys 20 Glu Thr His Ala Leu Gly Arg Pro Gly Lys Pro Glu Glu Val Ala Ala 210 215 Thr Ile Ala Phe Leu Ala Ser Glu Leu Ala Ser Asn Ile Thr Gly Ala 225 230 235 240 Ser Val Pro Val Asp Gly Gly Arg His Ala Met Cys Pro Arg 245 250 Patentansprüche 35 1. Nukleinsäure, kodierend für ein allergenes Polypeptid, umfassend (a) eine der in SEQ ID No. 1, 3, 5 oder 7 dargestellten Sequenzen oder ein Fragment davon, welches für eine allergene Determinante davon kodiert, (b) eine von einer Sequenz gemäß (a) auf Grund der Degeneration des genetischen Codes abweichende Se-40 auenz\_ (c) eine Sequenz mit einer Identität > 80% zu einer der Sequenzen von (a) oder/und (b) oder (d) eine Sequenz, die mit einer der Sequenzen gemäß (a), (b) oder/und (c) unter stringenten Bedingungen hybridisiert. Nukleinsäure, umfassend einen Bereich, der für ein Polypeptid mit einer SEQ ID No. 2, 4, 6 oder 8 dargestellten 45 Sequenz kodiert, 3. Rekombinantes DNA-Molekül, das (a) eine Nukleotidsequenz, die für ein Polypeptid kodiert, das die Antigenizität der Allergene p40 mit der Aminosäuresequenz in der SEQ ID No. 2, p33 mit der Aminosäuresequenz in der SEQ ID No. 4, p84 mit der Aminosäuresequenz in der SEQ ID No. 6 oder p27 mit der Aminosäuresequenz in der SEQ ID No. 8 besitzt und aus Arthropoden abgeleitet ist, oder (b) eine Nukleotidsequenz, die mit einer Nukleotidsequenz (a) unter stringenten Bedingungen hybridisiert, aufweist, 50 4. Rekombinantes DNA-Molekül nach einem der Ansprüche 1-3, das eine Nukleotidsequenz umfaßt, die für ein Polypeptid kodiert, das eine antigene Kreuzreaktivität und eine Identität > 50% mit dem p40 Allergen, dem p33 Allergen, dem p84 Allergen oder dem p27 Allergen oder ihren Hotnologen aus anderen Arthropoden besitzt. 5. Vektor, umfassend eine Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 1-4 in operativer Verknüpfung mit einer Ex-55 pressionskontrollsequenz. 6. Rekombinanter DNA-Expressionsvektor oder ein Klonierungssystem, die eine Expressionskontrollsequenz besitzen, die operativ mit einem rekombinanten Molekül wie in Anspruch 3 oder 4 beschrieben, verknüpft ist, 7. Rekombinanter Expressionsvektor, der eine Expressionskontrollsequenz besitzt, die funktionell mit einer Nukleotidsequenz verknüpft ist, die unter stringenten Bedingungen mit einer Nukleotidsequenz hybridisiert, wie sie in SEQ ID Nos. 1, 3, 5 oder 7 angegeben ist. 60 8. Zelle, transformiert mit einer Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 1-4 oder einem Vektor nach einem der Ansprüche 5-7. Allergenes Polypeptid, kodiert durch eine der Nukleinsäuren nach einem der Ansprüche 1-4. 10. Polypeptid nach Anspruch 9 mit einer in SEQ ID No. 2, 4, 6, oder 8 dargestellten Aminosäuresequenz oder all-65 ergene Fragmente davon. 11. Polypeptid, das mit einem Polypeptid nach Anspruch 9 oder 10, insbesondere mit einem Polypeptid der SEQ ID

12. Polypeptid nach einem der Ansprüche 9-11, dadurch gekennzeichnet, dass es mit einem heterologen Peptid

No. 2, 4, 6 oder 8 immunologisch kreuzreaktiv ist,

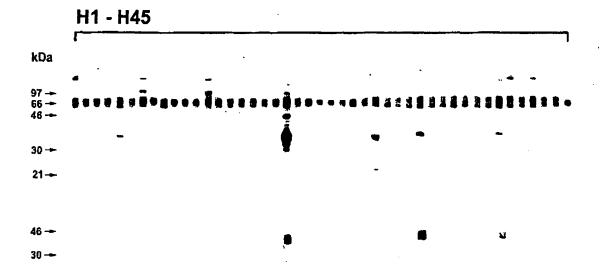
10

15

65

oder Polypeptid fusioniert ist. 13. Ein Polypeptid nach Anspruch 12, dadurch gekennzeichnet, dass das heterologe Peptid oder Polypeptid eine zellulosebindende Domäne, β-Galaktosidase oder Glutathion S-Transferase ist. 14. Verwendung eines Polypeptids nach Anspruch 9-13 oder von Fragmenten eines solchen Polypeptids als Immunogen zur Herstellung von Antikörpern. 15. Antikörper gegen ein Polypeptid nach einem der Ansprüche 9-13. Pharmazeutische Zusammensetzung, umfassend: (a) eine Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 1-4, (b) einen rekombinanten Vektor nach einem der Ansprüche 5–7, (c) eine Zelle nach Anspruch 8, (d) ein Polypeptid nach einem der Ansprüche 9-13 oder/und (e) einen Antikörper nach Anspruch 15. 17. Verwendung einer Zusammensetzung nach Anspruch 16 zur Herstellung eines diagnostischen und/oder therapeutischen Mittels. 18. Verwendung nach Anspruch 17 für die Therapie oder/und Diagnose von allergischen Erkrankungen. 19. Verfahren zur Diagnose, bevorzugt in vitro, einer Allergie gegen Arthropodenproteine, wobei man eine Probe einer Körperflüssigkeit aus dem Patienten, in der Antikörper gegen das Arthropodenprotein vermutet werden, mit einem Polypeptid nach Anspruch 6–13 unter Bedingungen in Kontakt bringt, die die Bildung eines Komplexes zwischen dem Antikörper und dem Polypeptid ermöglichen, wonach der Komplex gemessen wird und zu der Menge des Antikörpers in der Probe in Beziehung gesetzt wird, wobei ein erhöhter Spiegel als Zeichen einer Allergie gegen das Arthropodenprotein gewertet wird, die das Polypeptid enthält. 20. Verfahren zur Messung, vorzugsweise in vitro, einer zellulären Immunreaktion, wobei ein rekombinantes oder synthetisches Protein oder Polypeptid nach einem der Ansprüche 9–13 zur Stimulation der zellulären Immunreaktion verwendet wird. 21. Verfahren zur Bestimmung von Arthropodenallergenen in Proben aus der Umwelt des Menschen, dadurch gekennzeichnet, dass man die Argininkinaseaktivität (EC 2.7.3.3) in den Proben bestimmt, 22. Verfahren zur Bestimmung von Arthropodenallergenen in Proben aus der Umwelt des Menschen, dadurch gekennzeichnet, dass man das Vorhandensein einer Nukleinsäure nach Anspruch 1-4 oder eines allergene Polypeptids nach Anspruch 9-13 bestimmt. 23. Verfahren zur Bestimmung von Arthropodenallergenen in Proben aus der Umwelt des Menschen, dadurch gekennzeichnet, dass man das Vorhandensein der Allergene p40, p33, p84 oder p27 oder ihrer Homologen bestimmt. 24. Verfahren nach Anspruch 22, dadurch gekennzeichnet, dass man das Vorhandensein eines p40 Homologen aus Milbe oder Motte bestimmt, 25. Verfahren zur Herstellung eines Arzneimittels, das ein synthetisches oder rekombinantes Polypeptid nach Anspruch 9-13 enthält und zur Hyposensibilisierung (Immuntherapie) von Patienten mit Allergie gegen p40, p33, p84 oder p27 oder ihrer Homologen eingesetzt werden kann. 26. Verfahren zur Herstellung eines Arzneimittels für die passive oder aktive Immuntberapie, das solche Fragmente oder Teilpeptide des Polypeptids der Erfindung enthält, die zwar ein Epitop oder mehrere Epitope, insbesondere IgE, IgG oder IgA-Epitope, des p40, des p33, des p84, oder des p27 Allergens oder ihrer Homologen umfassen, aber nicht oder nur in einem stark eingeschränkten Maß zu einer anaphylaktischen Reaktion führen können. 27. Verwendung einer Argininkinase zur Herstellung eines Arzneimittels oder/und eines diagnostischen Mittels zur Behandlung von allergischen Erkrankungen oder/und zur Bestimmung von Allergenen. 28. Verwendung nach Anspruch 27, dadurch gekennzeichnet, dass eine Argininkinase aus einer Motte oder aus einer Milbe verwendet oder bestimmt wird. 29. Verfahren zum Nachweis einer Allergie, bei dem die Dörrobstmotte, Extrakte davon oder einzelne Bestandteile davon zur Bestimmung der Allergie eingesetzt werden. 30. Allergen, dadurch gekennzeichnet, dass es sich um eine Argininkinase handelt. 31. Allergen nach Anspruch 30, dadurch gekennzeichnet, dass es sich um eine Argininkinase aus einer Motte oder einer Milbe handelt, 50 Hierzu 11 Seite(n) Zeichnungen 55 60

DE 100 41 541 A1 C 07 K 16/00 14. März 2002



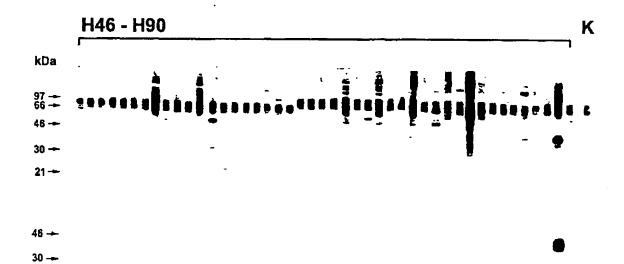


Fig. 1

Nummer: Int. Cl.<sup>7</sup>:

Offenlegungstag:

DE 100 41 541 A1 C 07 K 16/00 14. März 2002

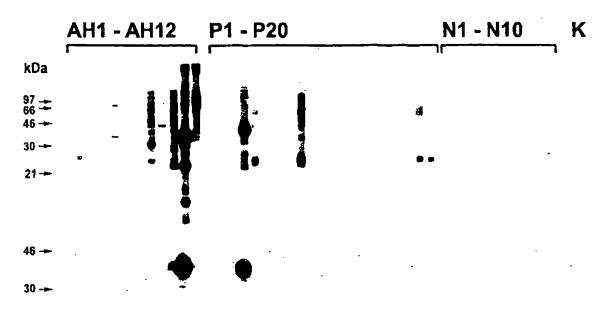


Fig. 2

DE 100 41 541 A1 C 07 K 16/00 14. März 2002

1	TCAAGTGTCAGAAAAGCA	202002
1	ILAMSKI KALAMAAKA AL	41 M G B

1	7000	W// 3.	3000	v.~	12.00														
	ATGGT	CGAL	79CC	ر ال	ACL	CTI	GAG	AAA V	TIG	GAG	GCI	GGC	TTC	AGC	'AAG	CTI	GCC	GCC	TCC
_	P1 V		A	A	-	יד	E	Д	Ļ	K	A	G	F	S	K	L	A	A	S
85	GACTO	'AAAC	TCG	СТС	CTG	AAG	AAA	TAC	בידכי	ACC	ACC	CAC	ረም እ	Teres	<b>ሃ</b> ጋል ጥ	بامارته	~~~	מ א מ	220
21	D S	K	S	L	·L	K	ĸ	Y	L	r	R	R	v	₩.	מי	AC I	CIC	AAG Y	AAC N
			_					-	_	_	•	~	•	•		_	Į,	V	24
145	AAGAA	GAC	TCA	TTT	GGI	TCA	ACT	CTC	CTG	GAT	тст	ATC	CAG	TCA	GGT	יייניני	CDC	מממ	מידים
41	K F	Т	S	P	G	S	T	L	L	D	Š	T	<u> </u>	5	G	v	er.		L
					_	_	_	_	_	_	-	-	×	•	•	•		14	ъ
205	CATTO	GGG"	'GTT	'GGA	ATT	TAT	GCC	CCA	GAT	GCT	GAG	GCA	TAT	GTA	GTA	Jalei.	מרא	GAC	בודים
61	H S	G	V	G	I	Y	A	P	D	A	Ė	A	Y	v	v	<b>प</b>	Δ.	n	T.
									_		_		-	•	•	•	••	-	-
265	TTCGA	.ccc	CATC	ATT	GAA	GAT	TAC	CAC	TAA	GGC	TTC	AAG	AAA	ACC	GAC	AAG	CAC	ССТ	CCC
81	F D	P	I	I	B	D	Y	Ħ	N	G	F	ĸ	K	T	D	ĸ	H	P	P
325	AAGAA	CTG	<b>F</b> GGA	GAT	GTT	GAG	ACC	CTC	GGG	AAC	TTG	GAT	CCT	GCT	GGT	GAA	TTT	GTT	GTC
101	K N	M	G	D	V	B	T	L	G	N	Ļ	D	P	A	G	B	F	v	v
			•																
385	TCCAC	CCGI	GTC	CGC	TGC	GGT	CGC	TCC	ATG	GAA	GGC	TAC	CCA	TTC	AAC	ccc	TGC	TTA	ACA
121	SI	R	v	R	C	G	R	S	M	E	G	Y	p	P	N	P	C	L	T
																			_
445	GAGGC	CCAA	TAC	AAG	GAA	ATG	GAA	GAG	AAA	<b>GTC</b>	TCC	TCC.	ACA	CTC	TCC	GGC	CTC	GAG	GT
141	E A	Q	X,	K	B	M	E	B	ĸ	ν	S	5	T	L	S	G	L	E	Ğ
																			-
505	GAACT	GAAA	<b>LGGC</b>	ACC	LLL	TTC	CCA	CTC	ACA	3GC	ATG	TCC	AAG	GAG	ACT	CAA	CAA	CAG	rrg
161	E L	K	G	T	F	F	P	L	T	G	M	S	K	E	T	0	0	0	L
565	ATTGA	TGAC	CAC	TTC	CTG	TTC	AAG	GAG	GT	SAT	CGC	TTC	CTC	CAG	GCC	GCT	AAC	GCT"	rcc
181	I D	D	H	P	L	F	K	E	G	Ď	R	F	L	0	A	A	N	A	c
625	CGCTI	CTGG	CCC	TCC	GGT	CGT	GGC	ATC'	rac(	CAC	AAT	GAG	AAC	AAG	AÇT	TTC	CTG	GTA'	TGG
201	R F	W	P	S	G	R	G	I	Y	H	N	E	N	K	Ť	F	L	v	W
685	TGCAA	TGAG	GAG	GAC	CAC	CTC	CGT	CTG	YTC:	rcc	ATG	CAA	ATG	GGC1	GGC	GAC	CTG	AAG	CAG
221	C N	77	E	D	H	L	R	L	I	S	M	Q	M	G	G	D	L	ĸ	Q
	C 14	-																	
745	GTGTA	CAAG	AGG	CTG	GTG.	AGG	3GA	GTG	ACC	SAC	ATC	GCG2	AAG	AGG	ATC	CCA'	יייטריי	rcg	CAC
745 241	GTGTA V Y	CAAG	AGG	CTG L	ĢTG: V	AGG(	GAI	GTG/ V	ACC	SACI D	atc(	GCG:	AAG: K	AGGI R	ATC	CCA'	יייטריי	rcg(	CAC H
241	GTGTA V Y	CAAG K	AGG R	L	V	R	G	V	ACC N	D	I	A	K	R	I	P	rtc' F	8	H
805	GTGTA V Y AACGA	CAAG K GCGG	AGG R KCTG	L GGC	V TTC	R CTG	G ACT	V PTC:	ACC N	ב בכנו	I ACC	A AAC	K CTG(	R GC	I ACA	P ACG	FTC	3 ~??~(	H
241	GTGTA V Y AACGA	CAAG K GCGG	AGG R KCTG	L GGC	V TTC	R CTG	G ACT	V PTC:	ACC N	ב בכנו	I ACC	A AAC	K CTG(	R GC	I ACA	P ACG	FTC	3 ~??~(	H
805 261	GTGTA V Y AACGA N E	CAAG K GCGG R	AGG R KCTG L	G GGC T	V TTC: F	R CTG L	G ACT T	V ITC: F	AACC N IGCC	D CCC	I ACCI T	A AAC N	K CTG( L	r GCI G	I ACAI T	P ACG T	FTC F STG( V	S CGC R	H SCA A
805 261 865	GTGTA V Y AACGA N E	CAAG K GCGG R GCAC	AGG R CTG L ATC	L GGC G AAG	V TTC: F CTG:	R CTG: L CCC:	G ACT T AAG	V PTC1 F CTG0	AACO N TGCC C	D CCCI P SCCC	I ACCI T SACI	A AAC N N	K CTG( L SCC)	R GGCI G AAG	I ACAI T	P ACG T	FTC F STG( V	S CGCC R	H SCA A
805 261 865	GTGTA V Y AACGA N E	CAAG K GCGG R GCAC	AGG R CTG L ATC	L GGC G AAG	V TTC: F CTG:	R CTG: L CCC:	G ACT T AAG	V PTC1 F CTG0	AACO N TGCC C	D CCCI P SCCC	I ACCI T SACI	A AAC N N	K CTG( L SCC)	R GGCI G AAG	I ACAI T	P ACG T	FTC F STG( V	S CGCC R	H SCA A
805 261 865 281	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V	CAAG K GCGG R GCAC	AGG R CTG L ATC	L GGC G AAG K	V TTC: F CTG: L	R CTG L CCC P	G ACT T AAG K	V PTC1 F CTG0 L	AACO N IGCO C SCGO A	D CCCI P SCCC A	I ACCI T SACI D	A AAC N AAG K	K CTGG L GCC/ A	R GGCI G AAGG K	I ACAI T CTGG	P ACGG T BAGG E	FTC F STG( V SAG( E	S CGCC R STGC V	H SCA A SCC A
805 261 865 281 925	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V  AGCAA	CAAG K GCGG R GCAC H	AGG R CTG L ATC 1	L GGC G AAG K CTG	V TTC: F CTG: L CAG:	R CTG: L CCC: P	G ACT T AAG K	V FTCT F CTGC L	AACO BCGG A	D CCCI P SCCC A	I ACCI T SACI D	A AAC N AAG K EAG	K CTGC L GCC/ A	R GGC: G AAGG K	I ACAI T CTGG L	P ACGG T BAGG E	FTC F STG V SAGO E	S CGCC R FTGC V	H SCA A SCC A
805 261 865 281 925	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V	CAAG K GCGG R GCAC H	AGG R CTG L ATC 1	L GGC G AAG K CTG	V TTC: F CTG: L CAG:	R CTG: L CCC: P	G ACT T AAG K	V FTCT F CTGC L	AACO BCGG A	D CCCI P SCCC A	I ACCI T SACI D	A AAC N AAG K EAG	K CTGC L GCC/ A	R GGC: G AAGG K	I ACAI T CTGG L	P ACGG T BAGG E	FTC F STG V SAGO E	S CGCC R FTGC V	H SCA A SCC A
805 261 865 281 925 301	GTGTA V Y AACGA N E TCGGT S V AGCAA S K	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y	AGG R CTG L ATC ATC CAC H	L GGC G AAG K CTG L	V TTC: F CTG: L CAG:	R CTG L CCC: P STG: V	G ACT T AAG K CGCC R	V F CTGC L GGCI G	AACC C C SCGC A	D CCCI P SCCCI A CGCCI R	I ACCI T SACI D GGCC G	AACO N AAGO K EAGO E	K CTGC L SCCI A CACI H	R G G AAGG K ACGG	I ACAI T CTGG L GAGG	P ACGA T GAGA E GCCA A	FTC* F STGG V SAGG	S CGCC R FTGC V SGCC G	H SCA A SCC A SGC G
805 261 865 281 925 301 985	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V  AGCAA S K  GTCTA	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y	AGG R CTG L ATC ATC	E GGC G AAG K CTG L	V TTC F CTG L CAG	R CTG: L CCC: P GTG: V	G ACT T AAG K CGCC R	V F CTGC L G G CGC	AACC C C GCGG A ACCC T	D P SCCO A CGCO R	I ACCI T SACI D SGCO G	AACO	K CTGC L GCCL A CACL H	R GGCI G AAGG K ACGG T	I ACAI T CTGG L GAGG E	P ACGA T BAGA E SCCA A	FTC: F STG: V SAG: E SAG: E	S CGCC R STGC V SGCC G	H SCA A SCC A SGC G
805 261 865 281 925 301 985	GTGTA V Y AACGA N E TCGGT S V AGCAA S K	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y	AGG R CTG L ATC ATC	E GGC G AAG K CTG L	V TTC F CTG L CAG	R CTG: L CCC: P GTG: V	G ACT T AAG K CGCC R	V F CTGC L G G CGC	AACC C C GCGG A ACCC T	D P SCCO A CGCO R	I ACCI T SACI D SGCO G	AACO	K CTGC L GCCL A CACL H	R GGCI G AAGG K ACGG T	I ACAI T CTGG L GAGG E	P ACGA T BAGA E SCCA A	FTC: F STG: V SAG: E SAG: E	S CGCC R STGC V SGCC G	H SCA A SCC A SGC G
925 301 985 321	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V  AGCAA S K  GTCTA V Y	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y CGAC	AGG R CTG L ATC CAC H ATC	GGC G AAG K CTG L TCC	V TTC F CTG L CAG Q AACI	R CTG L CCC P STG V AAG K	G ACT T AAGG K CGCC R AGGG R	V F CTGC L G G CGCZ R	ACC C SCGC A ACC T	D CCCI P SCCC A CGCC R SGAC	I ACCI T SACI G G CTCI L	AACO N AAGO K SAGO E ACCO	K CTGC L GCC A CAC H GAG	R GGCI AAGG K ACGG T FACG Y	I T CTGG L GAGG E GAAG	P ACGG T GAGG E GCCG A GCCG A	FTC: F V SAGO E SAGO E STC: V	S CGCC R STGC V SGCC G AAGC	H SCA A SCC A SGC G SAG E
241 805 261 865 281 925 301 985 321	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V  AGCAA S K  GTCTA V Y  ATGTA	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y CGAC	AGG R CTG L CATC CAC H CATC	E GGC AAG K CTG L TCC S	V TTC F CTG L CAG Q AAC N GCT	R CTG L CCC P STG V AAG K	G ACT T AAGA K CGCC R AGGC R	V F ETGC L GGCZ G CGCZ R	AAAA	D CCCI P SCCCI A CGCI R SGAG G	I ACCI T SACI SGCO G CTCI L SAGI	AACC NAGC K EAGC E ACCC T	K CTGC A CACL H CACL EAG!	R GGCI AAGG K ACGG T FACG Y	I T CTGG L GAGG E GAAG	P ACGG T GAGG E GCCG A GCCG A	FTC: F V SAGO E SAGO E STC: V	S CGCC R STGC V SGCC G AAGC	H SCA A SCC A SGC G SAG E
925 301 985 321	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V  AGCAA S K  GTCTA V Y  ATGTA	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y CGAC	AGG R CTG L CATC CAC H CATC	GGC G AAG K CTG L TCC	V TTC F CTG L CAG Q AACI	R CTG L CCC P STG V AAG K	G ACT T AAGA K CGCC R AGGC R	V F CTGC L G G CGCZ R	AAAA	D CCCI P SCCCI A CGCI R SGAG G	I ACCI T SACI SGCO G CTCI L SAGI	AACO N AAGO K SAGO E ACCO	K CTGC A CACL H CACL EAG!	R GGCI AAGG K ACGG T FACG Y	I T CTGG L GAGG E GAAG	P ACGG T GAGG E GCCG A GCCG A	FTC: F V SAGO E SAGO E STC: V	S CGCC R STGC V SGCC G AAGC	H SCA A SCC A SGC G
241 805 261 865 281 925 301 985 321 1045 341	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V  AGCAA S K  GTCTA V Y  ATGTA M Y	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y CGAC D	RAGG RCTG L LATC L CACC H ATC I	GGC G AAAG K CTGG L TCC S ATC	V TTC: F CTG- L CAGG Q AAC: N GCTG- A	R CTG L CCCC P GTG V AAG K	G ACT T AAAG K CGCC R AAGG R	V F CTGC L G G CGCZ R ATCZ	AACCCCCAAACCCCCAAACCCCCAAACCCCCAAACCCCCC	D CCCI P SCCCC A CGCCC R CGCCC R	ACCCI T SACCI D SGCCCI CTCI L SAGI	AAACO NAAAGO KEAGO EACCO T	K CTGC L GCCL A CACH H GAG' E CCCC	R GGCC G AAGG K ACGG T TACG Y CTGC	I ACAL T CTGG L GAGGE E GAGGE E TTAAG	P ACGA T GARAGE E GARAGE A A A A A A A A A A A A A A A A A A	TTCTF V GAGGE E SAGGE V V GTTT	S CGCC R STGC V SGCC G AAGC K	H SCA A SCC A SGC G SAG EAG
241 805 261 865 281 925 301 985 321 1045 341	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V  AGCAA S K  GTCTA V Y  ATGTA	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y CGAC D	RAGG RCTG L LATC L CACC H ATC I	GGC G AAAG K CTGG L TCC S ATC	V TTC: F CTG- L CAGG Q AAC: N GCTG- A	R CTG L CCCC P GTG V AAG K	G ACT T AAAG K CGCC R AAGG R	V F CTGC L G G CGCZ R ATCZ	AACCCCCAAACCCCCAAACCCCCAAACCCCCAAACCCCCC	D CCCI P SCCCC A CGCCC R CGCCC R	ACCCI T SACCI D SGCCCI CTCI L SAGI	AAACO NAAAGO KEAGO EACCO T	K CTGC L GCCL A CACH H GAG' E CCCC	R GGCC G AAGG K ACGG T TACG Y CTGC	I ACAL T CTGG L GAGGE E GAGGE E TTAAG	P ACGA T GARAGE E GARAGE A A A A A A A A A A A A A A A A A A	TTCTF V GAGGE E SAGGE V V GTTT	S CGCC R STGC V SGCC G AAGC K	H SCA A SCC A SGC G SAG EAG
241 805 261 865 281 925 301 985 321 1045 341 1105	GTGTA V Y  AACGA N E  TCCGT S V  AGCAA S K  GTCTA V Y  ATGTA M Y  TCTCG	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y CGAC D	AGG R CTG L CATC I CAC H ATC GGC G	L GGCC G AAGG K CTGG L TCCC S ATCC	V TTCC F CTGC L CAGGO Q AACC N GCTC A	R CTGL L CCCC P GTGL V AAGL K HTTT	G ACT T AAAG K CGCC R AAGGC R	V FCTGC F GGC/A GGC/A R ATT/	AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	D CCCI P GCCCC A CGCCC R A CGCCC R TATCC I	I ACCL T T SACL D G G CTCL L EAGI	AAACCCCCTTAAAACCCCCTT	K CTGCCL A CLACL H CCCCC S CACC	R GGC:G G AAGG K ACGG T T TACG Y ACTG:	I ACACAT T CTGG L CTGGAGG E E AGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGA	P ACGO T T GEAGA A A T T T T T T T T T T T T T T T T	FTC-F F STG-V SAGO E SAGO E STT-T STT-T	S CCCCC R V SGCCC G G AAAGC K TGTC	H SCA A SCC A SGC G SAG E SAG E
241 805 261 865 281 925 301 985 321 1045 341 1105	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V  AGCAA S K  GTCTA V Y  ATGTA M Y	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y CGAC D	AGG R CTG L CATC I CAC H ATC GGC G	L GGCC G AAGG K CTGG L TCCC S ATCC	V TTCC F CTGC L CAGGO Q AACC N GCTC A	R CTGL L CCCC P GTGL V AAGL K HTTT	G ACT T AAAG K CGCC R AAGGC R	V FCTGC F GGC/A GGC/A R ATT/	AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	D CCCI P GCCCC A CGCCC R A CGCCC R TATCC I	I ACCL T T SACL D G G CTCL L EAGI	AAACCCCCTTAAAACCCCCTT	K CTGCCL A CLACL H CCCCC S CACC	R GGC:G G AAGG K ACGG T T TACG Y ACTG:	I ACACAT T CTGG L CTGGAGG E E AGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGA	P ACGO T T GEAGA A A T T T T T T T T T T T T T T T T	FTC-F F STG-V SAGO E SAGO E STT-T STT-T	S CCCCC R V SGCCC G G AAAGC K TGTC	H SCA A SCC A SGC G SAG E SAG E
241 805 261 865 281 925 301 985 321 1045 341 1105	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V  AGCAA S K  GTCTA V Y  ATGTA M Y  TCTCG	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y CCGAC D CCGAC D CCGAC D	AGG R CTG L CAC CAC H ATC G G G G G	L GGC G AAG K CTG L TCC S ATC AAG AAG AAG AAG AAG AAG AAG AAG AAG AA	V TTC: F CTG: L CAG: Q AAC: N GCT: A TT: CTA:	R CTG. L CCCC. P GTG. V AAAG. K EAAA. ETC.	G ACT T AAAGA K CGCCC R AGGGCC L CTGT	V TTCT F CTGC L CGCZ R ATCZ I ATTZ	AACCO A ACCCO T ACCCO M AAAA K ACCCO M AAAA ACCCO M AAAA K ACCCO M AAAAA K ACCCO M AAAA K ACCCO M AAAAA K ACCCO M AAAA AAAA AAAA AAAA AAAA AAAAA AAAAA AAAA	D CCCCI P GCCC A CCGCC R ATCC I TATC	I ACCI T T GACI D CTCI L EAGI	AAACC N AAAGC K EAAGC T T AAAA: K	K CTGC L GCCL A CACI H GAGT E CCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC	R GGCCC G AAGGCK K ACGCC Y CTGCC L ATAL	I ACAI T CTGC L GAGGE E GAAC E AGTI	P ACGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	FTC: F STGA V SAGA E STC: V STT: SGA1	S CGCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC	H GCA A GCC A GGC G GA GGA GGA
241 805 261 865 281 925 301 985 321 1045 341 1105	GTGTA V Y  AACGA N E  TCCGT S V  AGCAA S K  GTCTA V Y  ATGTA M Y  TCTCG	CAAG K GCGG R GCAC H GTAC Y CCGAC D CCGAC D CCGAC D	AGG R CTG L CAC CAC H ATC G G G G G	L GGC G AAG K CTG L TCC S ATC AAG AAG AAG AAG AAG AAG AAG AAG AAG AA	V TTC: F CTG: L CAG: Q AAC: N GCT: A TT: CTA:	R CTG. L CCCC. P GTG. V AAAG. K EAAA. ETC.	G ACT T AAAGA K CGCCC R AGGGCC L CTGT	V TTCT F CTGC L CGCZ R ATCZ I ATTZ	AACCO A ACCCO T ACCCO M AAAA K ACCCO M AAAA ACCCO M AAAA K ACCCO M AAAAA K ACCCO M AAAA K ACCCO M AAAAA K ACCCO M AAAA AAAA AAAA AAAA AAAA AAAAA AAAAA AAAA	D CCCCI P GCCC A CCGCC R ATCC I TATC	I ACCI T T GACI D CTCI L EAGI	AAACC N AAAGC K EAAGC T T AAAA: K	K CTGC L GCCL A CACI H GAGT E CCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC	R GGCCC G AAGGCK K ACGCC Y CTGCC L ATAL	I ACAI T CTGC L GAGGE E GAAC E AGTI	P ACGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	FTC: F STGA V SAGA E STC: V STT: SGA1	S CGCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC	H GCA A GCC A GGC G GA GGA GGA
241 805 261 865 281 925 301 985 321 1045 341 1105 1165	GTGTA V Y  AACGA N E  TCGGT S V  AGCAA S K  GTCTA V Y  ATGTA M Y  TCTCG	CAAG K GCGGGR GGAC H CGGAC D CGGAC D CGGAC GGAC GGAC GGAC GG	AGG R CTG L CAC I CAC H ATC GGGC G GCG CGT	L GGC G AAG K CTG L TCC S ATC AAG AAG AAG AAG AAG AAG AAG AAG AAG AA	V TTC: F CTG: L CAG: Q AAC: N GCT: A TT: CTA:	R CTG. L CCCC. P GTG. V AAAG. K EAAA. ETC.	G ACT T AAAGA K CGCCC R AGGGCC L CTGT	V TTCT F CTGC L CGCZ R ATCZ I ATTZ	AACCO A ACCCO T ACCCO M AAAA K ACCCO M AAAA ACCCO M AAAA K ACCCO M AAAAA K ACCCO M AAAA K ACCCO M AAAAA K ACCCO M AAAA AAAA AAAA AAAA AAAA AAAAA AAAAA AAAA	D CCCCI P GCCC A CCGCC R ATCC I TATC	I ACCI T T GACI D CTCI L EAGI	AAACC N AAAGC K EAAGC T T AAAA: K	K CTGC L GCCL A CACI H GAGT E CCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC	R GGCCC G AAGGCK K ACGCC Y CTGCC L ATAL	I ACAI T CTGC L GAGGE E GAAC E AGTI	P ACGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	FTC: F STGA V SAGA E STC: V STT: SGA1	S CGCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC	H GCA A GCC A GGC G GA GGA GGA

DE 100 41 541 A1 C 07 K 16/00 14. März 2002

	T AC	AGG	AÇA	GTA	GAC	ACA	CAA	AGC	CAC	CAC	CAT	'GGA	CGC	GAT	CAA	GAA	GAA	GAT	GCA	GGCG
	1										M	I	A	I	K	K	K	M	Q	A
6	1 A7	GAA	GCT	GGA	GAA	GGA	CAA	CGC	TTT	GGA	רכה	ממר	יידיבירי	<sub>የጉ</sub> ጥ	CTC	CCN	~~~	~~*		CAAG
				, E		U	14	A		ע	R	A	A	M	C	B	Q	Q	A	K
12:	1 GA	CGC	CAA	CCT	CCG	TGC	TGA	GAA	GGC	CGA	GGA	a D	der.	CZG	ת'י∆ מ	אידיי א	707	722	~~~	EATC
٥.		•	14		K	A	_	7	A	E	E	Е	A	R	Q	L	Q	K	K	I
18:	L CA	GAC	GAT	TGA	GAA	CGA	тст	GCD	CCA	330	מרא	CC A	ccc	o chemi	~ n m	~~~				CAAG
51	r Ö	Т	I	E	N	D	L	D	Q	T	Q	E	A	L	M	GCA( Q	3GT <b>V</b>	CAAC N	CGC( A	CAAG K
71	I T	992		GAA.	TI TI	JAN.	HGC	ICI.	I.C.A.	JAA	CGC	IGA	GTC	CGA	AGTY	CGC.	rgco	CT	CAAC	CGA
		,,,	-		-	I.	A	Ļ	Q	N	A	K	S	E	ν	A	A	L	Ŋ	R
301		TAT	CA	ACT	GCTC	3GA	AGA	GGA(	CCT	CGA(	3AG(	GTC	CGA	GAC	3CG(	CTC	:GC(	ACC	:GC(	ACA
-		-	×		ш	E	E	υ	ما	R	R	S	B	E	R	L	A	T	A	T
361	GC	CAA	<b>CTY</b>	<b>GTC</b>	CGA	\GC(	CAG	CCA	GC1	rgcr	GA?	rga	TCC	GAZ	ACG1	race	יייני	יא מי	ישיביע	(AU)
			-	3		A	3	Q	A	A	D	E	, S	E	R	A	R	K	V	L
421	GA	<b>JAA</b> (	AGO	<b>FTC</b>	ATTO	GC1	GA7	GAZ	GAC	CG'	יאיז	CA.	הרוטה	ידיתי	iana	ממני	CNO	~~~		
131	. Е	N	R	S	L	A	D	E	B	R	М	D	A	L	E	N	Q	L	K K	gaa E
481	GC	CAGO	TTC	CT	raci	YEAG	an.	מכר	7230	יאאר	722	m> /	***	· ·						
151	A	R	F	L	A	F	R	Δ	מאט. ח		vere. V	A TW	GAI	GAG	GT1	GCI	CGT	AAG	CTG	GCÇ
541	AT(	GTI	GAG	GCI	GAC	CTG	GAC	ccc	יכרם	CAC.	270	יריםי	~~~	~~ × ×	maa	~~~				
171	М	v	E	A	D	L	E	R	Ā	E	Z R	6	7 N	GWW	TCL	.GGC	GAA	TCC	AAA	ATC
601	GT(	GAG	CTI	GAG	GAA	GAA	CTG	CGC	GTG	GTT	'GGC	מב	מממי	באישרי	222	ተረረ	رسس	~ A A	~~~	<b>.</b>
~	•	_	-	4	25	4	ь	K	٧	V	G	N	N	L	K	S	L	E	V	S
661	GAG	GAG	AAG	GCC	AAC	CAA	CGT	GAG	GAG	GAG	TAC		מית מ	~~~	3.00					
211	E	B	K	A	N	Q	R	B	E	E	Y	K	M	CAG.	AIC.	MAA.	AÇCI	CIC	ACC.	ACC
721 231	CGC	'CTA	aag	GAG	GCT	GAG	GCC	CGC	GCT	GAG	TTC	GCC	GAG	CCT	ጥርረ	CTYC	ሮአረ።			77.5
		_		~	•		^		A	4	F	A	K	R	S	V	Q	ĸ	L	Q
781 251	AAG	GAG	GTC	GAC	AGG	CTT	GAA	GAC	GAR		CTT.	ىلمىت	CAC	n n ~	77.0					
251	K	E	v	D	R	L	R	מ	E	L	V	A	E	K	E	K	Y	K K	SATI D	I.
841 271	GGT	GAC	GAC	حبرت	מארי	ACC.	~~	Tan Ca	om~	73.0	~~~									
271	G	D	D	L	D	T	P	P	V.	B	L	I	L	rag( K	SAA: E	raal *	ACT(	CT	ZACC	TT
901	GGT	CAC	CTG	GGC	CTG:	rcc	CAT	3 <b>C</b> G(	3GG(	CAG	ACC	CAC	GGG:	rca:	rtco	CAAC	ACC	CGG	CTY	TT
961																				
1021																				
1081																~~1	·	. ± £#:	117	C I

DE 100 41 541 A1 C 07 K 16/00 14. März 2002

			anne																			
	1 GG 1	14	3G.T.(	SGA(	CGA1	GAA K	GAC	CTG:	rcci	rga:	rc'i'	PAG	CTG	GCC G	TCG	TG	GC	CCT	GG	CGC	GG	GC
6.	LAA 7 N	CAC	CT	CCC	IGG1	'ATT	CAC	AT	\TG/	/CC3	(CG	CG.	AAA 	CTA	GAA	AA'	TT(	3GA	AGO	AG	CC	TT
_					> V																	
123	TT	ACA	GTA	CCA	GTC	GAA	AT7	TCI	GTC	TCT	TC	TG	AGA	ATG	TGA	GAC	CAC	ZAT	TYZZ	מיזיי	CC	ממ
37	7 L	Q	Y	ς Ω	S	K		ľ	. S	3 I	. 1		E	N	v	R	Q			)		E
181	L GC	GGA	GTA	CTA	(A)	እርጥ	TYC:	מ מים:	AGGG	لا ملمارة		~~.	TOO	ma Al	^~	~~.						
57	7 A	E	Y	Y	K	v	. 6	; į		3	rcer ! I	LUA.	ICG I	V V	CCA D	GC/ S	LT!	iga:	GAA	CTA		
243																			_		_	S
77	GA	CCA	AGA	TGC	AGT V	CAG	GGC K	GTI	TGC	TGG	TCI	TC	DAE	AAA'	TG	GT1	TC	TA.	GCC	CAA	AG	CT
301	TA	CAC	ATT	CTC	CAT	TTT	CTA	CGA	CAG	GCA	GAC	AG	٩AG	AAG	CTA	AGA	TI	'AT	TTA	TGA	СТ	TG
97	Y	T	F.	S	I	F	Y	Ď	R	Q	R		3 1	3	<b>1</b>	K	1	I	Y	D		<u>.                                    </u>
361	TT	CTA	CAG	CGC	TAA	AGA'	TTT	GGA	CAC	TTT	ĊТА	CAZ	aga.	متابلم	ra <i>ci</i>	ساب	יא רי			7 7 m	~~	
117	F	Y	S	A	K	D	L	D	T	F	Y		ζ '	r	V	A A	Y	G	UU. R	HAT	CT.	Y.
421																						_
137	TT	N	E	G I M	Q	P JII	ĻΑΙ' Μ	CIA	ΙGC	1-1-1. 1-1-1.	CTA	TGC	TG	CGA	rta:	FTC	AG	CG	TC	TGA		
																			S			T
481 157	AC	AGG	TAA	CGT	CTT	ACC	AGC	TCC	ATA'	TGA	ACT	GTA	TC	TG	\AT2	\TT	TC	TTC	AA	CAT	GTZ	AΤ
137	-	G		V	L	Ъ	A	P	Y	E	L	, 3	( )	5 1	E .	Y	F	L	N	M	!	Y
541	ACC	TAE	CCA	AAG.	AATO	TAC	CCG	AAC	ACA	GAT	GCA	AAG	TGO	רמידי	יירעי	מיא	እጥ	C A C	יראי	N C MI	T-7	~
177	Ţ	I	Q	R	M	Y	R	T	Q	M	Q	S	; (	3		P	N	E	E	V V	LG	A A
601	AG																					
197	s	N	Y	G	I	W	K	M M	JUA. D	TAA:	laai N	V. V.	CIA	VITA	TTZ	CT.	AC.	AAC	TA( Y			
cer																			_	_	1	•
217	CCC	T"IC I	JACC T	)ATE V	CAGI	LAAJ M	CAO	GA(	TA(	CAGI	ATT(	FTC	TTA	TTT	'GAC	:AG	AA	3AC	ATI	AGG(	T	G
721 237	AAC N	TCI	TAC	TA:	TAC	TAC	TIC	CAC	CAA'	CT'	'AT(	3CC	TTĮ	CIG	GGG	CA	AA	GC	GAC	GAC	لملة	ידיי
23/	N	8	Y	Y	Y	Y	F	H	N	L	M	P	F	W	7 (	3	K	G	Ė			?
781	ATT	GGT	TAT	TT	'AAG	GAA	CGC	CG1	rggz	GAZ	ነ <b>ጥጥ</b>	מיוויי	איניי	מיזיי	- Territor	·~	<b>.</b>		<b>~</b> .			_
257	I	G	I	F	K	E	R	R	G	B	F	Y	Y	Y	E	C 17	HIU Y	CALL O		CTC L		
847																			-	_		
277	TCT S	R	Y	Y	L	GAG E	R	TIC	iagi R	CAAT. N	)DDT	"I"IY	GGG	AGA	AAT	TC	AC	AT	TŢ	TCI		
																						•
901 297	TAC	CAA	CCI	CIG	iagg	AGT	GG1	TAC	TAT	CCA	GC1	TA	ATA	TAC	GAG	CTC	CAG	CC	TAT	'CCG	TT	T
~~.	**	~	-	u	X	5	G	¥	¥	ħ	A	Ι	Y	T	S		S	A	Y	P	F	,
961 317	GCT	CAA	.CGT	CCC	'AAC	TAT	TAT	TAC	ATG	GGA	ACI	'GAJ	AGA	'אא	TGT	TGE	\Cal	יאר:	ልጥሮ	מ מיץ	TT	~
317	A	Q	R	₽	И	Y	Y	Y	M	G	T	E	B	N	v	1	0	Y	Į	Q	E	
1021	CTT	GAT	GCT	CAG	GAA	DAA	AGC	- Turat	Y217Y2	מ מיי	- Care	v	703	~~ ~								
337	L	D	A	Q	E	K	S	F	v	Q	F	L	, O	GMI. I	G	ون د	) IG 1	T1.	rag K	GÇA A	TT	Т
1081 357	K	0	D	U V	D	TTC	CGC R	AAC N	TCC	AAG	TCA	AT7	laa:	CTT.	rgr	TGG	CA	AC.	rrr	TGG	CA	A
1141	GGA	AAC	CCG	GAC	CIG	TAC	GAT	AAG	TAC	GGA	AGG	GAA	(GT)	AAA(	TA:	ad'i	CG	AC.	rcc	TAC	GA	A.
377	G	1A	P	D	L	Y	D	K	Y	G	R	E	٧	N	Y	Ι	ֹ (	D	S	Y	B	-
1201	ATC	ATC	GCT	CGC	CGC	GTG(	CTT	GGT	GCT	GCT	CCT	ככי	:ארי	بالمايد	ימני	<b>~</b> n ~	· ruy	<b>3</b> / -		_		~
397	I	I	A	R	R	V	L	G	A	A	P	P	T	S	D	N	1	nct Y	zaa E	F F	اآف V	j
1261 417																						
417	P	S	A	L	D	F	Y	0	T	S	CIT L	افات P	CA.	rcc(	JGC( A	TT.	CT	ACI	M ATG	CTC L	TA:	r
											_			•	-	. E.		4	471	i.	I	

2221 AAAAAAAAA

Nummer: Int. Cl.<sup>7</sup>: DE 100 41 541 A1 C 07 K 16/00 14. März 2002

Offenlegungstag:

1321 AACAAGATCATGAGCTACATTGTACAGTACAAGGAATGGTTGGAGCCCTATGATCAAGAG 437 N K I M S Y I V Q Y K E W L E P Y D Q E 1381 GTACTTCACTACTCCGGTGTCAAGATCAATGACGTCAGTGTTGGTAACTTGACTACCTTC 457 V L H Y S G V K I N D V S V G N L T T F 1441 TTCGAGTACTATGACTTCAACGCCACCAATGCAGTTTTCTTAAGTGACCAAGAGATTCAA 477 FEYYDFNATNAVFLSDQEIQ 1501 CAACAATATTCTTCATTCATCGTACGTCAACCGCGTTTGAACCACGAACCTTTCTCCGTG 497 Q Q Y S S F I V R Q P R L N H E P F S V 1561 ACCATCGATGTTAAGTCTGACGTTGAGGCGGAAGCGTACTTCAAGATCTTTGTTGGTCCT 517 T I D V K S D V E A E A Y F K I F V G P 1621 AAATATGATGGAGAAGGTCGCCCTCTTAGCTTGGAAGATAACTGGATGAACTTCGTGGAA 537 K Y D G E G R P L S L E D N W M N F V E 1681 TTGGACTGGTTCACCCACAAATTGACGTCAGGACAGAACAAGGTTGAGCGCAAATCTGAG 557 L D W F T H K L T S G Q N K V E R K S E 1741 GAATTCTTCTTCTTTAAAGAGGACTCCGTCTCAATGTCTAAGATCTATGAACTCCTGAAA 577 E F F F K E D S V S M S K I Y E L L K 1801 CAGGGCCAGGTACCTGAAAGCATGTCCGAAGACTACGACTCTATGCCAAGCAGACTGATG 597 Q G Q V P E S M S E D Y D S M P S R L M 1861 TTGCCCAGAGGCACTCCGGGTGGTTTCCCTGTACAGTTCTTCGTCTTCGTGTACCCATAC 617 L P R G T P G G F P V Q F F V F V Y P Y 637 Q A L S K D L B A M K N I I L D N K P 1981 GGCTATCCATTTGACCGTCCTGTCGAGTACCCGTATCTCTTCTTACAACCTAATATGTAC 657 G Y P F D R P V E Y P Y L F L Q P N M Y 2041 TTTGAAGACGTCAATATCTACCACAGAGGCCCTCAATACCCCTGGTGGAGTAATGGCCAA 677 FEDVNIYHRGPQYPWWSNGQ 697 FRLNEVPRQ \* 

Nummer: Int. Cl.7: Offenlegungstag:

DE 100 41 541 A1 C 07 K 16/00 14. März 2002

	1 T	AAC	TGTI	'ATT	GCT	CAG	TGA	TAA	TAG	ATT	AGT	TAT	TAT	ATT	GTC	AAG	AAG	CTG.	ATA	CGTT
6	1 T	GCA	דמממ	ידמי)	<b>ም</b> ልጥ	יממט	تلحلمك	~~~		TP 3	. ~	~~~								
					M	n K	- 1 T	200	حص	THA	AGI	161	AAT	TGT	AAC	CGG	TGC	TAG	CTC	CGGT
					1.1	74	F	A	G	K		V	1	· V	Ί	. G	A	S	S	G
12:	1 A	ייאריי	<u> </u>	ACC	ጥልሮ	N/Z/~	Tary.	المالات	~~	2 ma		- ~								
7.	7	T (	שבתה מינ	ngc K	- Ar	7UP	1727.	GII	JUI.	ATC	GAA	ACT:	AGG	CGC	TAA	GCT	TTC'	ICT(	GAC	GGA
_	•	•	A	-	•	A	¥	F	ч	S	K	L	G	A	K	Ļ	S	Ļ	T	G
181	1 6	י מידיב	አሮርሞ	יעניט	יממי	T)/WPV	מ מים	~~ ~ .	m											
-3.	7 (	2 2 2	1001	COA!	244E	↓\-\_I.	TAA	JAAL	IGT.	rag:	rca:	GGA'	TTG	CGA	AAA.	ATC	CAC	CCAC	BAC	CAC
	•		ı v	. 🗗	14	Ţ	K	K	٧	S	Q	D	C	E	K	ន	T	Q	T	H
241	т:	ימיא	יייי	~~~	~~~			~					_							
5	7 1	~~~. 		ريور،	CGA	UT-17	HAC	CAA!	1GA	AAA)	AGA'	TAT	IGA.	AAA'	TAT	CGT:	TAA!	\AG(	CACC	TTA
-	•		A	A	ט	L	1	K	R	K	D	I	E	N	I	V	K	S	T	I
301	G Z	א מידינ	ארדה	~~~	7/73	. cumo														
77	7	) B	ATA	-55G		ACT.	LGA(	GIC	CIU	JGT(	CAA:	CAA'	IGC:	rgg	CAT.	rcr:	rgac	ACT	GGI	TCC
• •	•	, ,	Y	G	Q	ш	D	V	L	V	N	N	Ą	G	I	L	E	T	G	
361	ימ	ונבארוי		~~~		*****	. ~ ~ ~													
97	- 6.7		AAA	-HC	TIC	51"IF	iGC(	CAG	TAC	GAC	CAG	FTT.	YYAA	JAA!	[AC]	AAA]	rgte	CGC	TCA	ATT
٠, ر	•		N	1	5	L	A	Q	¥	D	R	L	M	N	T	N	V	R	S	I
117	. 18	, A	CTT	VICE	ATU	iCIC.	iGCA	GTC	CC	CAC	CI	CTC	'AA'	ACC	'AA'	\GGT	AAC	ATI	GTG	AAT
11/		. 1	L	1	M	יד	A.	V	P	H	L	L	K	T	K	G	N	I	v	N
127	. 61	MIC	TAG	GTC	'AA'I	GGG	ATC	:AGG	TCI	TTC	CC1	GG	GTZ	CTC	GC'I	TAC	:AAT	GTI	TCG	AAG
731	V	5	S	V	N	G	I	R	S	F	₽	G	V	L	A	Y	N	V	S	ĸ
157	10	AGC	TGT!	IGAT	CAG	TIT	'ACA	AGA	TGI	GTT	GCA	CTI	GAA	TTG	GCC	:CCG	AAA	GGG	GTA	CGA
13/	5	A	V	ע	Q	F	T	R	С	V	A	L	R	L	A	P	K	G	v	R
601																				
177	37	144	TTG1	GIG	AAT	CCA	GGA	GTC	ATT	TIG	ACA	GAA	CTG	CAG	AAG	CGT	GGG	GGT	TTG	AAC
1,,	•	14	С	V	N	Þ	G	V	I	L	T	E	L	Q	K	R	G	G	L	N
197	GW.	CCA	GCAG	TAT	GCA	GCA	TTT	CTG	GAG	AGA	ACC	AAG	GAG	ACA	CAT	GCC	TIG	GGC	CGG	CCG
13,	ט	¥	Q	x	A	A	P	L	E	R	T	K	B	T	H	A	L	G	R	P
217	96	THAN T	ACCG	GAG	GAG	GIM	GCA	GCT.	ACT	ATT	GCT	TTC	TTG	GCC	AGT	GAA	TTA	GCA.	AGC	AAT
21/	G	K	P	E	E	V	A	A	T	I	A	F	L	A	S	E	L	A	S	N
701	AT	CAC	(GGA	GCC	AGT	GTG	CCT	GTA(	BAC	GGT(	ggt.	CGC	CAT	GCC	ATG'	TGT	CCA	'GA'	יאמיו	ulmlı.
237	T	1	G	A	5	V	₽	V	D	G	G	R	H	A	M	C	P	R	*	
841	11.		TAA	AAT	ACA:	IGI.	raa:	TT.	TT.	CTT	rac:	TAT:	TTA	CAA!	rrr.	TC	AATO	CAZ	GCA	بلمل
901	117	4CA	1.TGA	TCA	AAG	rgr	CTA	AA/	CT.	TT(	GAA:	TAT:	IGT/	ACA	ATA	AAA:	rrr	יבדי	מידבי	بلعل
961	AT	L'Atu	T'AA	JTAI	<b>LAA</b>	1CG7	rtcz	CAT	CAC	TA	ľAA'	CTT(	FIG:	rca:	TAT	GA1	GTO	ימטי	TTT	TT
																				- 1
1021	CAI	ATA	TTT	rgti	TAI	ACC	TTO	TTA	TTI	TAR	יבבו	מ מ מי	337		א מידי	מ מיניו			_	

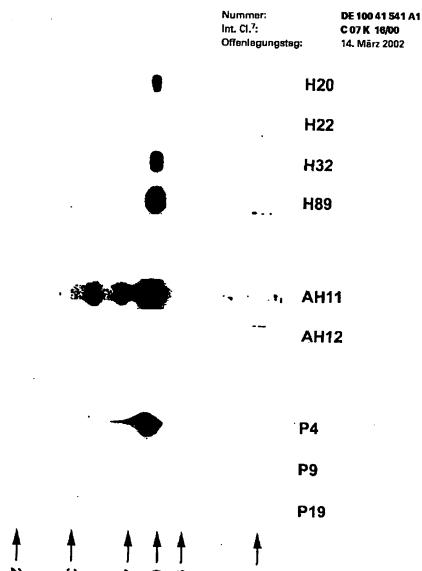


Fig. 7

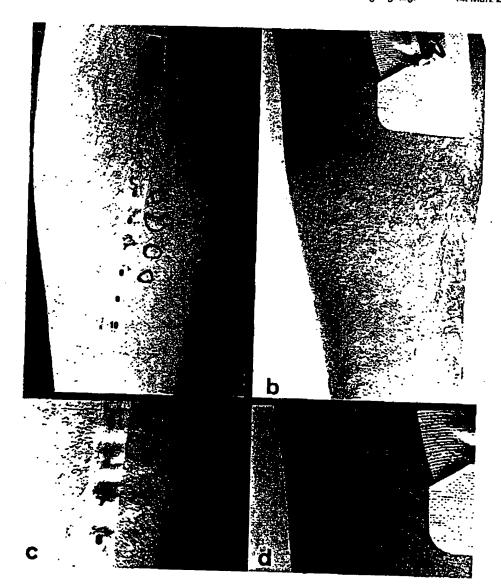


Fig. 8

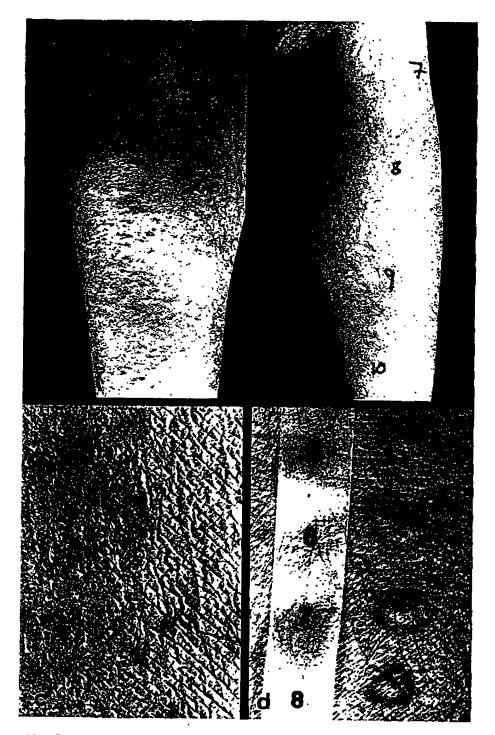
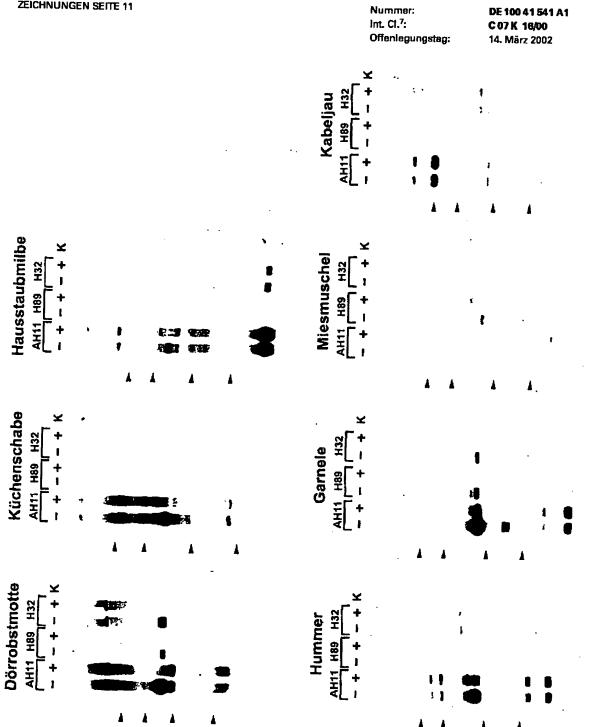


Fig. 9



# This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning Operations and is not part of the Official Record

### **BEST AVAILABLE IMAGES**

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:

BLACK BORDERS

IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES

FADED TEXT OR DRAWING

BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING

SKEWED/SLANTED IMAGES

COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS

GRAY SCALE DOCUMENTS

LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT

REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY

### IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

☐ OTHER:

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.